

256

CLONAGEM DE UM SEGMENTO DO GENE MIE DO CITOMEGALOVÍRUS PARA O DESENVOLVIMENTO DE PCR SEMI-QUANTITATIVO. Gabriela Devenz¹, Carolina Guedes¹, Claudio Stadnik², Virginia Schmitt^{1,3} e Rosane M. Scheibe^{1,3} (¹Instituto de Pesquisas Biomédicas HSL/PUCRS, ²Serviço deInfectologia HSL, ³Faculdade de Farmácia PUCRS)

A infecção por citomegalovírus (CMV) é uma das principais causas de pneumonite intersticial (PI) em pacientes imunocomprometidos especialmente em transplantados e aidéticos. Nos pacientes com pneumonite, a presença do CMV no lavado broncoalveolar não o identifica necessariamente como agente causador da doença. Por outro lado, estudos demonstraram que grande parte destes pacientes irão desenvolver PI causada pelo CMV se não receberem tratamento antiviral adequado. A reação em cadeia da polimerase (PCR) tem sido utilizada para a identificação do CMV (método qualitativo). Apesar da grande sensibilidade deste método, há necessidade do desenvolvimento de uma técnica que permita a quantificação do vírus para um melhor acompanhamento dos pacientes em tratamento e para o diagnóstico precoce de infecções subclínicas. Este trabalho tem como objetivo desenvolver uma estratégia para a quantificação viral baseada em PCR-competitivo. Um segmento do gene *MIE* (305 pb) obtido pela PCR foi clonado no vetor pUC19, gerando o plasmídeo pBM305. Um outro plasmídeo, pBM275, foi construído pela deleção de 40 pb do gene *MIE*. Estes plasmídeos estão sendo caracterizados e serão utilizados em ensaios de competição para posterior quantificação viral dos pacientes. (Apoio Financeiro: BPA-PUCRS, FAPERGS).