



FINOVA 2013

Feira de Inovação Tecnológica



| | |
|-------------------|---|
| Evento | Salão UFRGS 2013: Feira de Inovação Tecnológica UFRGS – FINOVA2013 |
| Ano | 2013 |
| Local | Porto Alegre - RS |
| Título | A influência do fotoperíodo na avaliação agronômica de genótipos e híbridos intraespecíficos de <i>Paspalum notatum</i> |
| Autor | MARCOS PERERA ZUÑEDA |
| Orientador | MIGUEL DALL AGNOL |

O gênero *Paspalum*, incluindo suas diversas espécies forrageiras, possui papel fundamental predominante na fisionomia e na participação da produção pecuária dos campos nativos do Bioma Pampa. Dentre as espécies, destaca-se *Paspalum notatum* Flüggé, pois apresenta boa qualidade de forragem e alta persistência ao pastejo e ao pisoteio dos animais (Pozzobon & Valls, 1997). Além disso, a existência de inúmeros genótipos adaptados as mais variadas condições de solo e clima tem despertado o interesse da pesquisa, no intuito de selecionar os superiores para o lançamento como cultivar. No entanto, a sua produção concentra-se no período de verão, ocorrendo uma drástica queda produtiva no período de inverno, sendo esta determinada pela dormência que é induzida pela redução do fotoperíodo (Dall’Agnol & Gomes, 1987). As baixas temperaturas ocorridas nesta estação do ano também acabam influenciando de maneira negativa o acúmulo de forragem e conseqüentemente a sua produção estacional. Desta forma, este trabalho foi conduzido com o objetivo de determinar a produção de matéria seca e avaliar a resposta de genótipos superiores de *P. notatum* submetidos à influência do fotoperíodo. Foram avaliados genótipos tetraplóides de *Paspalum notatum* provenientes do Departamento de Agricultura dos Estados Unidos (USDA) (30N, 36N, 48N, 70N, 83N, 95N, V4), da Universidade Nacional do Nordeste da Argentina (Q4188, Q4205 e C44X), além de híbridos intraespecíficos de *P. notatum* resultantes de cruzamentos realizados entre Q4205 - utilizada como progenitora feminina- e André da Rocha e Bagual - utilizados como progenitores masculinos-, totalizando seis híbridos superiores selecionados para produção de matéria seca (PMS) em trabalho conduzido anteriormente (Weiller, 2013): C1, C2, C15, C17 – Q4205 x André da Rocha (Progênie “C”) e D3 e D16 – Q4205 x Bagual (Progênie “D”). O nível de ploidia destes genótipos foi descrito por Facchineto (2010), Quarín (1984) e Weiller (2013), respectivamente. Utilizou-se como testemunhas a cv. Pensacola e mais dois genótipos nativos de *P. notatum* do Rio Grande do Sul, André da Rocha e Bagual, totalizando 19 genótipos. Com exceção dos genótipos Q4188, Q4205 e C44X, os demais que foram avaliados neste trabalho passaram por processos de seleção para produção de matéria seca em trabalhos anteriores (Steiner, 2005; Fachineto, 2010). Foram feitos cinco clones de cada genótipo mantidos em vasos de 2,8 L, alocados em área aberta, onde foram submetidos ao ambiente com fotoperíodo natural e fotoperíodo estendido (15 horas de luz). O delineamento experimental utilizado foi inteiramente casualizado em esquema fatorial 19 x 2 (genótipos x fotoperíodo), com fotoperíodo natural e estendido, constituído de cinco repetições. A produção de forragem dos genótipos foi avaliada por meio de cortes realizados durante os meses de julho de 2011 a outubro de 2012. Para os genótipos prostrados e cespitosos as alturas dos resíduos foram correspondentes a cinco e 10 cm, respectivamente. Os materiais coletados foram colocados para secar em estufa com ar forçado a 55 °C por 72 horas e posteriormente foram pesados. Considerou-se 5% de significância. Como resultado encontrou-se interação genótipo x fotoperíodo ($P < 0,05$) e genótipo x fotoperíodo x estação do ano ($P < 0,05$) para produção de matéria seca total (g.vaso^{-1}). Ficou evidenciado que o manejo utilizado trouxe conseqüências distintas para os genótipos testados. A maior parte dos genótipos demonstrou ser afetada pelo tratamento imposto (fotoperíodo estendido e fotoperíodo natural) gerando conseqüências nas produções de matéria seca total para as estações de primavera e verão.