

*Bipolaris sorokiniana*, fungo causador da helmintosporiose em culturas de cereais de clima frio é responsável por elevadas perdas na produção de trigo no sul do Brasil. Este fungo apresenta grande variabilidade, tanto morfológica como fisiológica. Este projeto tem como objetivo detectar polimorfismos no DNA genômico das amostras, recuperadas de diferentes órgãos das plantas, utilizando a técnica de RAPD ("Random Amplified Polymorphic - DNA"). Os resultados obtidos serão relacionados com as diferenças morfológicas do fungo. Três isolados de *B. sorokiniana* (CNPT-EMBRAPA), foram inoculados em plantas de trigo da cultivar BH1146 e recuperados de raízes, folhas e sementes. Os DNAs genômicos dos isolados foram extraídos e serão analisados por RAPD, utilizando diferentes "primers" (Kit Biodynamics S. R. L.). A avaliação das diferenças morfológicas entre os isolados estão sendo realizadas em meio BDA (Batata-Dextrose-Ágar). O estudo destes polimorfismos possibilitará uma análise fenética, podendo ainda indicar seqüências de DNA que possam servir como marcadores moleculares, proporcionando assim um método rápido e preciso na identificação do fungo. (RHAE-CNPq, PROPESP/UFRGS, FAPERGS, CAPES).