

**521**

ANÁLISE DA EXPRESSÃO GÊNICA DE BAX E BCL2 EM HIPERPLASIA PROSTÁTICA BENIGNA E CÂNCER DE PRÓSTATA  
Maria Eduarda Azambuja Amaral, Ana Caroline Hillebrand, Patrícia Borba Martiny, Brasil Silva Neto, Ilma Simoni Brum. Universidade Federal do Rio Grande do Sul (UFRGS)

O câncer de próstata (CaP) é o segundo tipo mais prevalente de câncer entre a população masculina. A hiperplasia prostática benigna (HPB) acomete aproximadamente 80% dos homens com mais de 60 anos e se deve a um crescimento não maligno da próstata. Ambas patologias são dependentes da ativação do receptor de androgênios (AR) para proliferação celular. Em aproximadamente 95% dos casos de CaP, as células desenvolvem um mecanismo de proliferação independente da ação hormonal, conhecida como recidiva tumoral. Com isto, muitos estudos tentam analisar como ocorre a ativação do receptor de androgênios de maneira independente da presença de androgênios. Recentemente, foram identificadas variantes estruturais do AR conhecidas como isoformas. Entretanto, ainda há muita discussão acerca da expressão e da função dessas isoformas tanto em tecido prostático normal como em tecido prostático tumoral. Dois genes frequentemente estudados em anomalias neoplásicas são o gene BAX e o BCL2, que estão relacionados com a regulação da apoptose. O objetivo do presente estudo é analisar e comparar a expressão dos genes BAX e BCL2 em amostras de CaP e HPB e correlacionar a expressão desses genes com a do AR e suas isoformas. A análise dos genes BAX e BCL2 foi realizada a partir de amostras de tecido prostático de pacientes que possuíam CaP e HPB utilizando a técnica de PCR Real Time (RT-qPCR). Foi encontrada uma maior expressão do BAX (\*P < 0,001) e do BCL2 (\*P = 0,029) em amostras de CaP quando comparadas às de HPB. Além disso, houve uma correlação positiva no grupo CaP entre a expressão de BCL2 e do AR (\*P = 0,020) e também entre o BCL2 com a isoforma AR3 (\*P = 0,024). A identificação da expressão de genes reguladores da apoptose é de extrema importância para o entendimento da proliferação celular tumoral descontrolada. A análise do AR e das AR-Vs e das suas correlações com os genes pró e antiapoptóticos têm sido um caminho promissor para a elucidação de mecanismos relacionados com o desenvolvimento de anomalias prostáticas. Palavra-chave: apoptose; câncer de próstata; hiperplasia prostática benigna. Projeto 12-0320