

O número total de seqüências de actina presentes no genoma de *Echinococcus granulosus* é estimado em 8, sendo que três destes genes já foram caracterizados: *Egact I*, *Egact II* e *Egact III* (Silva *et al.*, *Mol. Biochem. Parasitol.* 60: 209-220, 1993). A partir de um banco genômico de *E. granulosus*, foi isolado um clone (###AEEgD) utilizando-se uma sonda produzida pela amplificação, por PCR, de parte da região flanqueadora 3' do cDNA do gene *Egact III* (SdIII). Um fragmento de DNA de 6 kb, gerado pela clivagem do DNA de ###AEEgD com *EcoRI* e que hibridizava com SdIII, foi subclonado no plasmídeo pBluescript e posteriormente mapeado com endonucleases de restrição. Uma seqüência relacionada à actina foi posicionada dentro do inserto do clone construído (p3.3) por hibridização com SdIII. Foram seqüenciados 180 nt do inserto de p3.3 utilizando um oligonucleotídeo (Act4) que anela na região codificante dos genes *Egact I* e *Egact III*. Nesta seqüência, os primeiros 100 nt correspondem a uma ORF que codifica 33 aminoácidos e os demais 80 nt correspondem à região flanqueadora 3' da seqüência determinada. A análise comparativa da seqüência parcial obtida com os três outros genes de actina de *E. granulosus* já caracterizados apresentou uma similaridade entre 77,5% e 85,8%, para a seqüência de nucleotídeos, e entre 78,7% e 81,8%, para seqüência deduzida de aminoácidos. Esses dados indicam que o fragmento contém a seqüência de um outro gene de actina de *E. granulosus*, distinto dos anteriormente caracterizados. A seqüência nucleotídica completa desse provável gene de actina será determinada, bem como também serão feitos o isolamento do cDNA e a caracterização do transcrito correspondente a este gene. (CNPq/PADCT e EEC)