

POLIMORFISMO G276T DO GENE DA ADIPONECTINA ESTÁ ASSOCIADO A MENOR RISCO PARA SÍNDROME METABÓLICA (SM) EM PACIENTES COM DIABETES MELITO TIPO 2

CAMILA MAISA ZALESKI SEBASTIANI; DIMITRIS VARVAKI RADOS; ENNIO PAULO CALEARO DA COSTA ROCHA; JULIANA FISCHMAN ZAMPIERI; VIVIAN TREIN CUNHA; ALICE CASTRO MENEZES XAVIER; ALESSANDRA LOCATELLI SMITH; LUIS HENRIQUE SANTOS CANANI; FERNANDO GERCHMAN

Introdução: A adiponectina, hormônio sensibilizador da insulina, é sintetizada nos adipócitos. Estudos sugerem associação entre o polimorfismo rs1501299 (G276T) do gene da adiponectina e aumento da resistência à insulina, tornando esse gene candidato à SM. **Objetivo:** Avaliar relação do polimorfismo G276T (rs1501299) com SM em pacientes com DM tipo 2. **Métodos:** Estudo transversal, 785 pacientes com DM 2 e função renal normal agrupados por genótipo em rs1501299 (GG, n=354; GT, n=332 e TT, n=99). Genotipagens feitas por PCR, reação enzimática e gel de agarose. Presença de SM conforme critérios da OMS. Análise de variáveis contínuas com distribuição normal utilizando ANOVA. Ajustes para variáveis de confusão por regressão logística, sendo variável dependente presença de SM. Adotado $p < 0,05$. **Resultados:** Prevalência de SM diferente entre os genótipos (GG=83,4% GT=85,9% TT=71,0%; $p=0,013$). Em modelo autossômico recessivo, prevalência de SM diferente em indivíduos com alelo G ou homozigotos para alelo T (84,6%, 71,0%, $p=0,004$). Avaliando critérios individuais de SM, comparando alelo G e homozigotos para o alelo T (GG/GT, TT), a prevalência de hipertensão (67,4% vs 61,6%; $p=0,329$), dislipidemia (59,9% vs 51,4%; $p=0,176$), obesidade (83,0% vs 83,6%; $p=0,911$), e microalbuminúria (41,6% vs 44,2%; $p=0,673$) não diferirau. Homozigotos para o alelo T eram mais velhos e apresentavam maior tempo de DM. Ajustando para sexo e idade, pacientes com alelo G tinham 2x mais risco para SM que os homozigotos para o alelo T (RC: 2,3; IC95% 1,3-4,1; $P=0,004$). **Conclusão:** Pacientes com alelo G do polimorfismo rs1501299 apresentam maior risco para SM do que aqueles homozigotos para o alelo T.