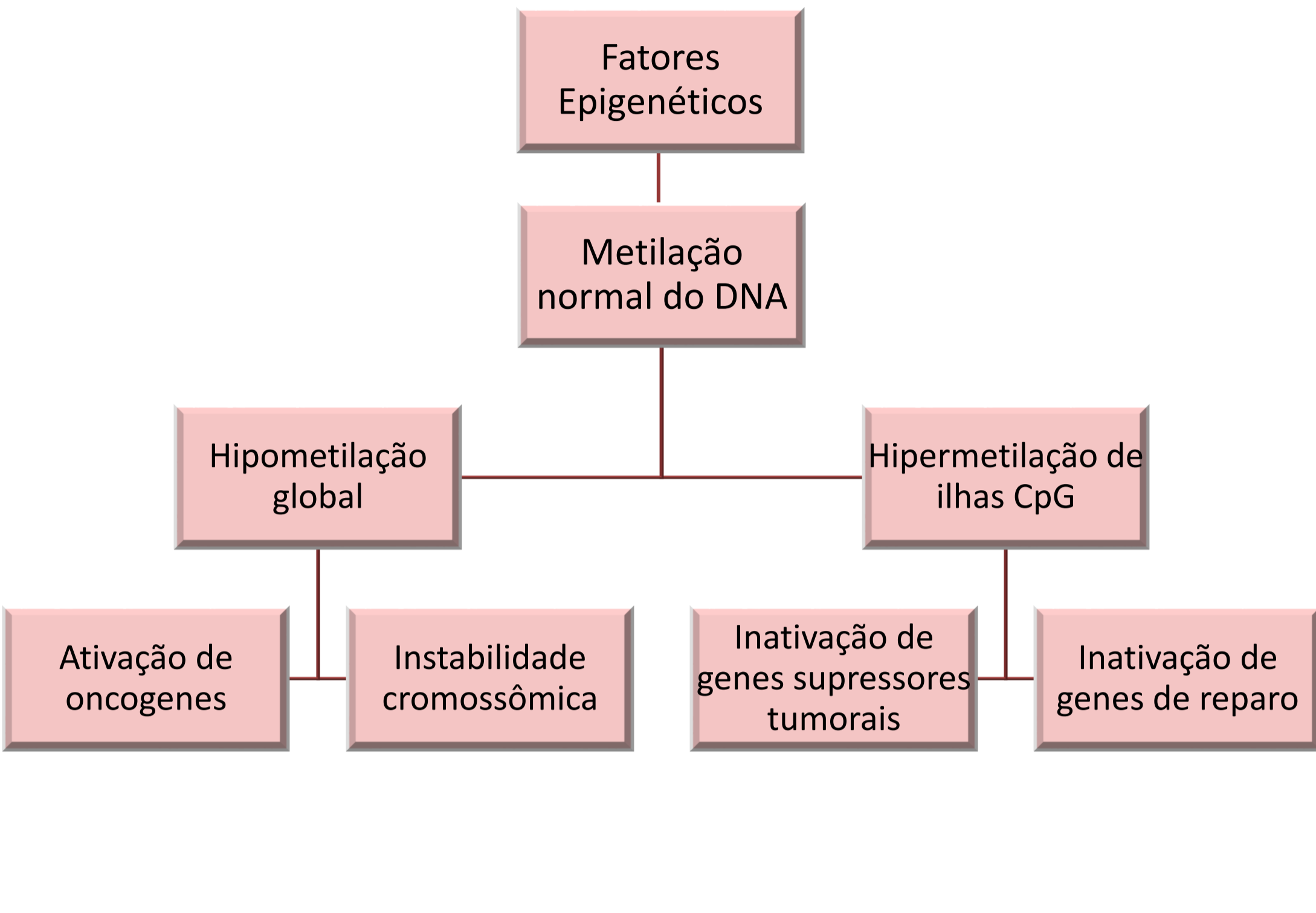


## INTRODUÇÃO



## OBJETIVO

Verificar a existência de metilação de DNA diferencial entre os distintos subtipos de carcinomas mamários utilizando-se a técnica de MS-MLPA, bem como avaliar a relação deste fenômeno com as principais características clínico patológicas.

## PACIENTES E METODOLOGIA

- 141 casos de carcinomas mamários invasivos de uma coorte de 398

- Foram obtidas amostras de tecido mamário normal e tumoral bem como informações clínico-patológicas reunidas em um banco de dados.

- O DNA foi isolado das amostras de tecido tumoral congelado utilizando-se o kit QuiAmp DNA Investigation (Quiagen, Hilden, Germany).



- O DNA lisado foi centrifugado, lavado e eluído até a obtenção de dna purificado



- A quantidade (ng/UI) e a pureza (razão 260/280) do DNA extraída foi mensurada por espectrofotometria utilizando o NanoDrop 2000c (ThermoFisher).

## CARACTERÍSTICAS CLINICO-PATOLÓGICAS

Característica	Total	N	%
<b>Raça</b>			
branca	141	121	86
negra		20	14
<b>IMC</b>			
20-25	139	37	26
26-29		55	39
30-35		31	22
>35		16	11
<b>Menarca</b>			
< 12 anos	132	42	29,8
> = 12 anos		90	63,8
<b>Menopausa</b>			
sim	139	88	62,4
não		51	36,2
<b>Gestações</b>			
Nuligesta	139	11	7,8
1		25	17,7
>2		103	73
<b>Aborto</b>			
sim	138	51	36,2
não		87	61,7
<b>Idade</b>			
<45	88	20	14,2
46-53		61	43,3
>54		7	5
<b>Histórico Familiar</b>			
sim	139	42	29,8
não		96	68,1
<b>Tipo histológico</b>			
intraductal	141	1	0,7
ductal não especial		123	87,2
ductal especial		9	6,4
lobular invasor		8	5,7
<b>Imuno-histoquímica</b>			
Luminais (AouB)	141	95	67
HER2		18	13
Triplo-negativos		28	20

## RESULTADOS

O DNA destes tumores foi extraído e quantificado, e apresentaram concentrações que variaram de 5,39 à 562,1 ng/ul (media=86,06), com 85% destas apresentando elevada pureza ( $A_{260/280} > 1,8$ ). Amostras com concentrações inferiores à 40ng/ul foram excluídas do estudo, sendo este o limite mínimo necessário para a análise por MS-MLPA, objetivo principal deste trabalho.

## PERSPECTIVAS

Serão realizadas análises por MS-MLPA para verificar a existência de metilação de DNA diferencial.

