



Incidência de *Anaplasma marginale*, *Babesia bigemina* e *Babesia bovis* em bezerros no semiárido paraibano¹

Valéria M.M. Costa², Múcio Flávio B. Ribeiro³, Giuliana A.F.P. Duarte⁴,
João Fábio Soares⁵, Sergio S. Azevedo⁴, Antonio Thadeu M. Barros⁶,
Franklin Riet-Correa⁴ e Marcelo B. Labruna^{7*}

ABSTRACT.- Costa V.M.M., Ribeiro M.F.B., Duarte G.A.F.P., Soares J.F., Azevedo S.S., Barros A.T.M., Riet-Correa F. & Labruna M.B. 2018. [**Incidence of *Anaplasma marginale*, *Babesia bigemina* and *Babesia bovis* among calves in the semiarid region of Paraíba, Brazil.**] Incidência de *Anaplasma marginale*, *Babesia bigemina* e *Babesia bovis* em bezerros no semiárido paraibano. *Pesquisa Veterinária Brasileira* 38(4):605-612. Departamento de Medicina Veterinária Preventiva e Saúde Animal, Universidade de São Paulo, Avenida Prof. Orlando Marques de Paiva 87, São Paulo, SP 05508-270, Brazil. E-mail: labruna@usp.br

This study evaluated the incidence of natural infection by agents of cattle tick fever (CTF), *Anaplasma marginale*, *Babesia bovis* and *Babesia bigemina* in calves born in five farms within the semiarid region of Paraíba state, Brazil. In each farm, blood samples were collected from 6 to 14 calves every 14 days during the first 12 months of life of each animal. Blood samples were processed by microhematocrit and tested by PCR for detection of DNA of *A. marginale*, *B. bovis* and *B. bigemina*. In parallel, the tick infestations on animals were quantified in the five farms, as well as populations in horseflies in three farms. From a total of 41 calves monitored during the first year of life, 25 (61.0%) had positive PCR for *A. marginale*, 7 (17.1%) for *B. bigemina* and 3 (7.3%) to *B. bovis*. Incidence values for *A. marginale* infection ranged from 83.3% to 100% in four farms. Infection with *B. bigemina* in calves was detected at only two farms (incidence of 12.5% and 85.7%) and by *B. bovis* in just one (42.8% incidence). On one farm 14 calves remained negative for *A. marginale*, *B. bigemina* and *B. bovis* during the 12 month follow-up. PCR results were confirmed by DNA sequencing of amplified products. The presence of *Rhipicephalus (Boophilus) microplus* was found only in two farms in which there was infection by *A. marginale*, *B. bigemina* and *B. bovis* (the latter agent in only one of them). A total of 930 horseflies were captured in the study, most during periods of rain in the region; 70.7% of horseflies corresponded to *Tabanus claripennis*. There was significant association between a positive PCR for *A. marginale* and *B. bigemina* and lower hematocrit values. This study demonstrates that even evaluating only five rural properties, the incidence of CTF occurred heterogeneously in the region, confirming the status of enzootic instability area for CTF, previously reported for the semiarid region of Paraíba.

INDEX TERMS: *Anaplasma marginale*, *Babesia bigemina*, *Babesia bovis*, calves, cattle, cattle tick fever, ticks, hematophagous Diptera, Brazil, parasitoses.

¹ Recebido em 29 de maio de 2016.

Aceito para publicação em 7 de abril de 2017.

² Vet Análises, Laboratório de Diagnósticos Veterinário, Rua Coronel José Vicente 68, 1º andar, Centro, Sousa, PB 58800-005, Brasil.

³ Departamento de Parasitologia, Instituto de Ciências Biológicas, Universidade Federal de Minas Gerais, Av. Antônio Carlos 6627, Pampulha, Cx. Postal 486, Belo Horizonte, MG 31270-901, Brasil.

⁴ Unidade Acadêmica de Medicina Veterinária, Centro de Saúde e Tecnologia Rural da Universidade Federal de Campina Grande, Av. Universitária s/n, Santa Cecília, Cx. Postal 61, Patos, PB 58700-970, Brasil.

⁵ Departamento de Patologia e Clínica Veterinária, Faculdade de Veterinária, Universidade Federal do Rio Grande do Sul, Av. Bento Gonçalves 9090, Porto Alegre, RS 91540000, Brasil.

⁶ Embrapa Gado de Corte, Av. Rádio Maia 830, Vila Popular, Campo Grande, MS 79106550, Brasil.

⁷ Departamento de Medicina Veterinária Preventiva e Saúde Animal, Faculdade de Medicina Veterinária e Zootecnia, Universidade de São Paulo, Avenida Prof. Orlando Marques de Paiva 87, São Paulo, SP 05508-270, Brasil.

*Autor para correspondência: labruna@usp.br

RESUMO. - Este estudo avaliou a incidência de infecções naturais pelos agentes da tristeza parasitária bovina (TPB), *Anaplasma marginale*, *Babesia bovis* e *Babesia bigemina*, em bezerros nascidos em cinco fazendas do semiárido paraibano. Em cada fazenda, foram coletadas amostras de sangue de 6 a 14 bezerros a cada 14 dias durante os primeiros 12 meses de vida de cada animal. As amostras de sangue foram processadas por microhematócrito e testadas por PCR para detecção de DNA de *A. marginale*, *B. bovis* e *B. bigemina*. Em paralelo, foram quantificadas as infestações por carrapatos nos bovinos nas cinco fazendas, assim como as populações de tabanídeos em três fazendas. De 41 bezerros monitorados durante o primeiro ano de vida, 25 (61,0%) apresentaram PCR positivo para *A. marginale*, 7 (17,1%) para *B. bigemina* e 3 (7,3%) para *B. bovis*. Os valores de incidência da infecção por *A. marginale* variaram de 83,3% a 100% em quatro fazendas. A infecção por *B. bigemina* ocorreu em bezerros de apenas duas fazendas (incidências de 12,5% e 85,7%) e a por *B. bovis* em apenas uma (incidência de 42,8%). Em uma fazenda os 14 bezerros permaneceram negativos para *A. marginale*, *B. bigemina* e *B. bovis* durante os 12 meses de acompanhamento. Os resultados de PCR foram confirmados por sequenciamento de DNA de produtos amplificados. A presença de carrapatos *Rhipicephalus (Boophilus) microplus* foi verificada somente em duas propriedades, nas quais houve infecção por *A. marginale*, *B. bigemina* e *B. bovis* (este último agente em apenas uma delas). Foram capturados 930 tabanídeos no estudo, a maioria durante os períodos de chuvas na região; 70,7% dos tabanídeos corresponderam a *Tabanus claripennis*. Houve associação significativa entre PCR positivo para *A. marginale* ou *B. bigemina* e menores valores de hematócrito. Este estudo demonstra que, mesmo avaliando apenas cinco propriedades rurais, a incidência dos agentes da TPB ocorreu de forma heterogênea na região, corroborando o status de área de instabilidade enzoótica para TPB previamente relatado para o semiárido paraibano.

TERMOS DE INDEXAÇÃO: *Anaplasma marginale*, *Babesia bigemina*, *Babesia bovis*, bezerro, bovinos, Paraíba, tristeza parasitária bovina, carrapatos, dípteros hematófagos, parasitoses.

INTRODUÇÃO

A tristeza parasitária bovina (TPB) é considerada enzoótica no Brasil e a distribuição geográfica de seus agentes etiológicos, *Anaplasma marginale*, *Babesia bigemina* e *Babesia bovis*, está relacionada principalmente com a presença do carrapato vetor, *Rhipicephalus microplus*. Levantamentos soro-epidemiológicos realizados em diferentes regiões do Brasil têm demonstrado ocorrência de variações na frequência de bovinos infectados por estes agentes, estabelecendo áreas de estabilidade enzoótica e áreas de instabilidade (Sacco 2002, Trindade 2010, Souza 2011, Costa et al. 2013, Silva et al. 2015).

As áreas de estabilidade enzoótica são definidas onde existe equilíbrio entre imunidade e doença, onde normalmente mais de 75% dos animais com idade acima de nove meses são portadores de hemoparasitos. Nestas áreas a maioria dos animais adquire a infecção antes de nove meses de idade e devido à resistência natural à infecção permanecem assintomáticos. Os animais posteriormente são reinfetados continuamente através de novas infestações por *R. (B.) microplus*, se mantendo no estado de portador durante a vida. Esta situação resulta

em baixa mortalidade pelas hemoparasitoses em animais adultos (Guglielmone 1995, Sacco 2002, Silva et al. 2015). Em áreas endêmicas, os bezerros apresentam a resistência natural por receberem proteção passiva de anticorpos presentes no colostro até cerca de três meses de idade além da imunidade inata (James et al. 1985, Brown et al. 2006). De forma semelhante, após a primo-infecção, os animais permanecem sorologicamente positivos por um período de seis meses para *B. bovis*, de três a quatro meses para *B. bigemina* (Wright 1990) e de oito meses para *A. marginale* (Magonigle & Newby 1984).

Em áreas de instabilidade enzoótica, a prevalência de infecção pelos agentes da TPB em animais acima de nove meses está geralmente entre 20 e 75% (Mahoney & Ross 1972). Nessas áreas, fatores climáticos ou de manejo interferem no desenvolvimento da fase de vida livre do carrapato. Nesses rebanhos, a primo-infecção é verificada em idade avançada e se caracteriza pela ocorrência de surtos da doença em animais adultos e, conseqüentemente, altas taxas de mortalidade (Mahoney & Ross 1972).

O presente estudo teve como objetivo determinar a incidência de infecções naturais por *A. marginale*, *B. bovis* e *B. bigemina* em bezerros a partir dos 30 dias de idade, nascidos em fazendas do semiárido paraibano, onde estudos recentes indicaram se tratar de uma região com características de instabilidade enzoótica para TPB (Costa et al. 2011, 2013).

MATERIAL E MÉTODOS

O estudo foi desenvolvido na região semiárida de Cariri e Sertão paraibano, pertencente ao bioma Caatinga. Neste bioma o clima semiárido se caracteriza por uma temperatura média de 27°C e a precipitação média anual é tipicamente ≈500mm. Ocorrência de secas, por vezes com duração de mais de um ano, também é uma característica da região (Andrade-Lima 1981). A maioria das propriedades criam os bovinos em regime extensivo sobre Caatinga nativa.

Foram selecionadas cinco propriedades rurais, sendo quatro na mesorregião do Sertão (São José de Espinharas (A), Patos (C), Piancó (B e E) e uma na mesorregião do Cariri Paraibano (Cabaceiras (D)). Com exceção da propriedade A, todas as demais apresentavam histórico de surtos de TPB nos 5 anos anteriores ao início deste estudo; tais surtos foram reportados anonimamente nos trabalhos de Costa et al. (2011, 2013). Em cada propriedade foram coletadas amostras de sangue de 6 a 14 bezerros a partir dos 30 dias de vida. Posteriormente, foram coletadas amostras sanguíneas dos mesmos bezerros a cada 14 dias por um período de 12 meses, dentro do período de julho/2010 a janeiro/2012. As amostras de sangue foram colhidas em tubos com anticoagulante (EDTA), sendo uma parte usada para determinação do volume globular pelo teste de microhematócrito e outra para extração de DNA.

Extração de DNA e testes moleculares. Para a extração de DNA de sangue total, utilizou-se o kit comercial Wizard® Genomic DNA Purification Kit (PROMEGA), conforme recomendações do fabricante, com padronização do volume da amostra para extração de 150µL de sangue total. Três protocolos de PCR, cada um com par de *primers* espécie-específico, foram empregados para cada espécie de hemoparasita. Os *primers* utilizados na reação de amplificação para *Anaplasma marginale* foram: sentido (5'-CAA TCG TGA GGG ATA GCC TTG TAC-3') e antisense (5'-TGG TAT CAC GGT CAA AAT CTT TGC T-3'), que amplificam um fragmento de 300-bp do gene *msp1a* de *A. marginale*. Para *Babesia bovis* cada amostra de DNA foi testada

com os *primers* senso (5'-CGA GGA AGG AAC TAC CGA TGT TGA ATA TC-3') e antisenso (5'-CAA CGT ACG AGG TCA AGC TAC CGA GCA G-3'), que amplificam um fragmento de 347-bp do gene *rap-1* de *B. bovis*; e na PCR para *Babesia bigemina*, cada amostra de DNA foi testada com os *primers* senso (5'-GGG ACG TCA AGC GAT TTT GAG ACG T-3') e antisenso (5'-GAG TGT TGC TGA TTG ACG ACC TAA GCG C-3'), que amplificam um fragmento de 340-bp do gene *rap-1* de *B. bigemina*. Todas as reações foram realizadas nas mesmas condições de reagentes e ciclos térmicos. Para tal, cada tubo de reação consistiu num volume total final de 25µL, com uma mistura contendo 12,6µL de água ultrapura, 2,5µL de tampão a 10X, 2,5µL de amostra de DNA de sangue total, 4,0µL de dNTPs a 2mM, 0,75µL de MgCl₂ a 25mM, 1,25µL de cada *primer* a 10mM e 0,15µL de enzima Taq-polimerase a 5 U/µL (Taq-Platinum, Invitrogen). As condições térmicas foram 95°C por 3 min., seguido de 40 ciclos de 95°C por 15 seg., 58°C por 30 seg., 72°C por 30 seg.; finalmente, houve uma extensão final a 72°C por 5 min. Esses três pares de *primers* foram desenhados durante o presente estudo, utilizando-se o programa *Primer Express Software Version 3.0 (Applied Biosystems)*, porém já foram empregados com sucesso em um estudo recente (Santos et al. 2017). A especificidade dos *primers* foi testada utilizando-se amostras de DNA extraído de sangue de bovinos infectados com cada um dos três patógenos alvos (*A. marginale*, *B. bigemina* ou *B. bovis*), com o mesmo kit comercial citado acima para as amostras de campo. Essas amostras de sangue pertenciam ao banco de sangue infectado por agentes da TPB, de um dos autores deste trabalho (M.F.B. Ribeiro). Em nenhum momento houve reação cruzada entre patógenos nos três diferentes protocolos de PCR, mostrando-se ser, portanto, 100% específico. Com relação à sensibilidade, as amostras de controles positivos foram testadas e positivas na PCR até a diluição de 10⁻², o que representava cerca de 2,5µg de DNA total extraído de sangue infectado.

O produto amplificado na PCR foi visualizado em gel de Agarose a 1,5% e corado com Brometo de Etídio. Foram consideradas positivas as amostras que geraram bandas visíveis de aproximadamente 300 pares de bases, correspondente ao mesmo padrão de migração da banda gerado pelo controle positivo correspondente.

Os produtos de PCR de algumas amostras positivas na PCR foram purificados com o uso de Exosap® (USB) conforme recomendações do fabricante e submetidos ao sequenciamento de nucleotídeos em sequenciador automático de DNA (*Applied Biosystems/Thermo Fisher Scientific, model ABI 3500 Genetic Analyzer*, Foster City, California, USA), conforme instruções do fabricante. As sequências obtidas foram submetidas ao programa "BLAST analysis" (Altschul et al. 1990) para determinar similaridades com outras sequências disponíveis.

Infestação por carrapatos *Rhipicephalus (Boophilus) microplus*.

Foram selecionadas aleatoriamente 10 vacas de cada propriedade para contagem e coleta de carrapatos. A contagem de *R. (B.) microplus* (fêmeas >4,5mm) foi realizada em um dos lados do animal, incluindo virilha, úbere e axila, sendo o resultado multiplicado por dois para obtenção dos níveis de infestação por animal. Os bezerros também foram inspecionados quanto ao parasitismo por carrapatos. As coletas foram exclusivamente de fêmeas ingurgitadas, as quais foram colocadas em estufa climatizada (25°C, 80% *relative humidity*, escotophase) do tipo B.O.D. (*Biochemical Oxygen Demand*) durante oito dias, para posterior avaliação da hemolinfa através da coloração de Giemsa, conforme previamente descrito (Quintão-Silva et al. 2007). Os carrapatos que apresentaram hemolinfa positiva para *Babesia* sp. foram armazenados em microtubos e mantidos congelados a -20°C para realização da extração de DNA e PCR para *Babesia* spp. conforme descrito acima.

Varição sazonal de dípteros. Em cada uma de três fazendas (propriedades A, D e E) foram colocadas uma armadilha NZI e uma armadilha CANNOPY para coletas de dípteros hematófagos, conforme previamente descrito (Barros et al. 2003). As armadilhas foram montadas uma vez ao mês durante oito dias, e a cada dois dias os coletores foram substituídos e o material coletado armazenado a seco, em recipientes contendo naftalina, para posterior identificação taxonômica seguindo literatura vigente (Krolow et al. 2007, Turcatel et al. 2007). Por motivos logísticos, não foi possível a coleta sistemática de dípteros nas propriedades B e C.

Dados climáticos. Durante os meses do experimento foram coletados os dados climáticos de umidade relativa do ar, temperatura e índices pluviométricos para cada local ou mesorregião amostrada. Os dados foram obtidos através do Instituto Nacional de Meteorologia (INMET), da Empresa de Assistência Técnica e Extensão Rural (EMATER-Patos) e da Agência Executiva de Gestão das Águas do Estado da Paraíba (AESPA).

Análises estatísticas. Os valores de hematócrito dos bezerros foram comparados com os resultados de PCR através do teste *t* de Student, com o intuito de verificar se as amostras positivas na PCR para *A. marginale*, *B. bigemina* ou *B. bovis* apresentavam menores valores de hematócrito, quando comparadas com as amostras negativas. As análises foram realizadas através do programa Minitab 16. Os resultados foram considerados estatisticamente significantes se *P* < 0,05.

RESULTADOS

PCR dos bezerros

Dos 41 bezerros monitorados durante o primeiro ano de vida, 25 (61,0%) apresentaram PCR positivo para *Anaplasma marginale*, 7 (17,1%) para *Babesia bigemina* e 3 (7,3%) para *B. bovis*. Casos de positividade na PCR apenas por *A. marginale* foram observados em 18 bezerros, positividade mista por *A. marginale* e *B. Bigemina* ocorreram em 4 animais, positividade tripla foi detectada em 3 animais. Dezesesseis (39,0%) animais não apresentaram positividade na PCR para nenhum dos agentes estudados.

Os valores de incidência da infecção por *A. marginale* variaram de 83,3% a 100% em quatro fazendas (Quadro 1) sendo que em 84,0% (21/25) dos bezerros a infecção ocorreu nos primeiros quatro meses de vida. Na fazenda A os 14 bezerros acompanhados no experimento permaneceram negativos para *A. marginale*.

Quanto a *B. bigemina*, a infecção ocorreu apenas em duas propriedades (D e E) com incidências de 12,5% e 85,7%, respectivamente (Quadro 1). Na propriedade D, dos sete bezerros monitorados, apenas um se infectou no oitavo mês de vida. Na propriedade E, seis dos sete bezerros monitorados infectaram-se precocemente, entre o primeiro e quinto mês de vida. A infecção por *B. bovis* foi observada somente na propriedade E, com percentual de incidência de 42,8%. Os animais da propriedade E foram infectados pelos três agentes da TPB, enquanto a propriedade A não apresentou bezerros infectados por nenhum dos agentes.

Os resultados dos sequenciamentos de DNA realizados nos produtos amplificados por PCR de amostras dos bezerros estão apresentados nos Quadros 2-4. As sequências das amostras de *A. marginale* identificadas nas propriedades B, C, D e E corresponderam a quatro genótipos distintos, sendo que o mais frequente apresentou alta similaridade

Quadro 1. Incidência da infecção por *Anaplasma marginale*, *Babesia bigemina* e *Babesia bovis* em bezerros bovinos durante o primeiro ano de vida em cinco fazendas da Paraíba, dentro do período de julho/2010 a janeiro/2012

Fazenda	Nº de bezerros amostrados de 14/14 dias durante o primeiro ano de vida	Número de bezerros positivos que se infectaram, segundo a idade (em meses) da primeira detecção por PCR e valor da incidência (%) durante o primeiro ano de vida					
		<i>A. marginale</i>		<i>B. bigemina</i>		<i>B. bovis</i>	
		Nº bezerros	%	Nº bezerros	%	Nº bezerros	%
A	14	0	0	0	0	0	0
B	6	5 (1,1,1,1,1)	83,3	0	0	0	0
C	7	6 (1,2,2,3,3,4)	85,7	0	0	0	0
D	7	7 (1,1,1,1,1,5,7)	100	1 (8)	12,5	0	0
E	7	7 (1,1,1,1,1,5,8)	100	6 (1,1,1,4,4,5)	85,7	3 (3,6,7)	42,8
Total	41	25 (1 a 8)	61,0	7 (1 a 8)	17,1	3 (3 a 7)	7,3

Quadro 2. Resultados de análise de similaridade (*Blast analysis*) das sequências de DNA de produtos de PCR com primers direcionados a um fragmento de 340-pb do gene *rap-1* de *Babesia bigemina*, em amostras de sangue de bezerros de fazendas da Paraíba

Bezerro	Origem da amostra	Maior similaridade no Genbank (<i>BLAST analysis</i>)			
		Número de acesso*	%	Origem	Cepa
2	Fazenda D	AY146980	100	Argentina	S1A
2	Fazenda E	AY146980	100	Argentina	S1A
4	Fazenda E	AY146980	100	Argentina	S1A
5	Fazenda E	AY146980	100	Argentina	S1A

* Em todos os casos, as sequências geradas neste estudo tiveram 100% de cobertura (*query cover*) pelas sequências correspondentes a esse número de acesso.

Quadro 3. Resultados de análise de similaridade (*Blast analysis*) das sequências de DNA de produtos de PCR com primers direcionados a um fragmento de 347-pb do gene *rap-1* de *Babesia bovis*, em amostras de sangue de bezerros de fazendas da Paraíba

Bezerro	Origem da amostra	Maior similaridade no Genbank (<i>BLAST analysis</i>)			
		Numero de acesso*	%	Origem	Cepa
4	Fazenda E	FJ588012	100	Brasil	Sudeste
5	Fazenda E	FJ588010	100	Brasil	Nordeste
6	Fazenda E	FJ588010	100	Brasil	Nordeste

* Em todos os casos, as sequências geradas neste estudo tiveram 100% de cobertura (*query cover*) pelas sequências correspondentes a esses números de acesso.

Quadro 4. Resultados de análise de similaridade (*Blast analysis*) das sequências de DNA de produtos de PCR com primers direcionados a um fragmento de 300-pb do gene *msp1a* de *Anaplasma marginale*, em amostras de sangue de bezerros de fazendas da Paraíba

Bezerro	Origem da amostra	Maior similaridade no Genbank (<i>BLAST analysis</i>)			
		Numero de acesso*	%	Origem	Cepa
1	Fazenda C	JN885133	99	Brasil	I15 (<i>M. gouazoubira</i>)
2	Fazenda C	JN885133	99	Brasil	I15 (<i>M. gouazoubira</i>)
7	Fazenda C	JN885133	99	Brasil	I15 (<i>M. gouazoubira</i>)
5	Fazenda D	FJ195757	98	Taiwan	TWN6
3	Fazenda E	FJ195757	98	Taiwan	TWN6
4	Fazenda E	AY846868	98	Israel	Israeli Lhavot-Habasan
5	Fazenda B	FJ195757	99	Taiwan	TWN6
6	Fazenda B	FJ195757	99	Taiwan	TWN6
7	Fazenda D	JN885132	99	Brasil	I19 (<i>M. gouazoubira</i>)
7	Fazenda E	JN885131	100	Brasil	I10 (<i>M. gouazoubira</i>)

* Em todos os casos, as sequências geradas neste estudo tiveram 100% de cobertura (*query cover*) pelas sequências correspondentes a esses números de acesso.

com amostras encontradas em *Mazama gouazoubira* (veado catingueiro) descritas no Brasil. As sequências de *B. bigemina* das propriedades D e E corresponderam a um único genótipo com 100% de similaridade com amostra descrita na Argentina. Já as sequências de *B. bovis* corresponderam a dois genótipos com 100% de similaridade com duas amostras descritas no Brasil.

Carrapatos *Rhipicephalus (Boophilus) microplus*

A presença de carrapatos *R. (B.) microplus* foi verificada somente nas propriedades D e E, sendo que as contagens variaram de 4 a 132 fêmeas por animal. Nos bezerros a variação na contagem foi de 2 a 66 carrapatos. Os animais apresentaram infestações com intensidade irregular durante o ano, com aumento no período de chuva (dados não mostrados).

Durante o estudo, foram coletadas 46 fêmeas ingurgitadas de *R. (B.) microplus* dos bovinos. Após serem incubadas em estufa, em apenas duas fêmeas ingurgitadas, colhidas de bovinos na propriedade E, foram encontradas formas de esporocinetos compatíveis com *Babesia* sp, através do exame de hemolinfa corado com Giemsa. Esses dois carrapatos foram submetidos aos mesmos protocolos de PCR citados acima, resultando em positividade apenas para a PCR para *B. bigemina*. Os produtos de PCR foram sequenciados, resultando em sequências 100% às identificadas em bezerros da propriedade E (Quadro 2).

Variação sazonal de dípteros

Foram capturados 930 tabanídeos nas propriedades A, D e E, sendo a distribuição mensal apresentada na Figura 1. O total de tabanídeos das propriedades A e E foram agrupados, por representarem a mesma mesoregião (Sertão). Os valores para a propriedade D foram apresentados separadamente, por representarem outra mesoregião (Cariri). No total, foram identificados os seguintes taxa com suas respectivas quantidades e frequências: *Tabanus claripennis* (658 espécimes; 70,7% do total de tabanídeos), *Tabanus* sp. (130; 14,0%), *Lepiselaga crassipes* (112; 12,0%), *Tabanus occidentalis* (9; 1,0%), *Dichelacera* sp. (7; 0,7%), *Lepiselaga* sp. (4; 0,4%), *Chlorotabanus* sp. (4; 0,4%), *Chrysops* sp. (3; 0,3), *Stenotabanus* sp. (2; 0,2%) e *Poeciloderas* sp. (1; 0,1%). A maioria dos taxa acima foi encontrada nas três propriedades; as únicas exceções foram a exclusividade de *Poeciloderas* sp. na propriedade D, associada às ausências de *T. occidentalis*, *Dichelacera* sp., *Chrysops* sp. e *Stenotabanus* sp. na propriedade D, e as ausências de *Dichelacera* sp., *Lepiselaga* sp. e *Stenotabanus* sp. na propriedade E.

Picos populacionais de tabanídeos ocorreram em abril, julho e novembro/2010 e fevereiro, julho-agosto e novembro/2011 em São José de Espinharas/Piancó (Sertão). Em Cabaceiras (Cariri), foi observado um pico bem definido em fevereiro/2011, os demais (novembro/2010 e maio/2011) foram menos evidentes e não se repetiram no ano seguinte (Fig.1). De modo geral, as épocas de maior abundância destes vetores estiveram diretamente associadas à estação chuvosa ou à ocorrência de chuvas nos meses anteriores ao pico em cada região (Fig.2). Durante o mesmo período, também foram capturados um total de 684 moscas-dos-estábulo (*Stomoxys calcitrans*), porém cerca de 90% delas foram capturadas entre março e julho de 2010 apenas na propriedade A.

Hematócrito dos bezerros

Os valores médios, desvio padrão e amplitude de hematócrito dos bezerros positivos e negativos na PCR para *A. marginale*, *B. bigemina* e *B. bovis* estão apresentados no Quadro 5. As amostras positivas na PCR, tanto para *A. marginale* como para *B. bigemina*, apresentaram valores de hematócrito significativamente menores que as amostras negativas na PCR. No caso de *B. bovis*, as médias do hematócrito foram estatisticamente similares (P=0,07) entre as amostras positivas e negativas na PCR.

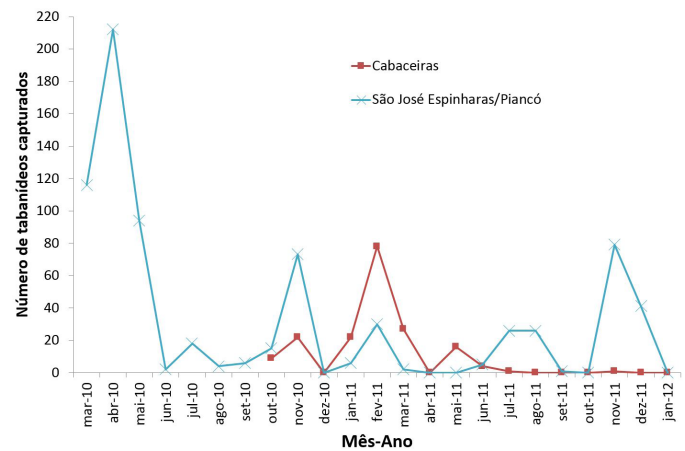


Fig.1. Número total de tabanídeos adultos capturados por armadilhas Canopy e NZI, armadas por um período de oito dias consecutivos em cada mês, nas Fazendas A e B (São José de Espinharas/Piancó) e D (Cabaceiras), Paraíba, de março/2010 a janeiro/2012.

Quadro 5. Avaliação comparativa dos valores de hematócrito das amostras de sangue de bezerros, positivas (+) e negativas (-) na PCR para *Anaplasma marginale*, *Babesia bigemina* e *Babesia bovis*, em propriedades rurais do semi-árido paraibano, de 2010 a 2012

Hematócrito	<i>A. marginale</i> (4 fazendas)		<i>B. bigemina</i> (2 fazendas)		<i>B. bovis</i> (1 fazenda)	
	PCR+ (78)*	PCR- (84)*	PCR+(21)*	PCR- (114)*	PCR+ (12)*	PCR- (73)*
Média ^a	28,5 ^a	35,5 ^b	23,9 ^a	31,7 ^b	23,2 ^a	24,8 ^a
Desvio padrão	7,2	5,8	4,7	4,4	2,2	4,3
Amplitude	11-47	26-54	18-34	21-40	20-27	18-38

* Número de amostras de sangue incluídas na análise, considerando-se somente as fazendas em que houve pelo menos um animal que se infectou pelo patógeno em questão; ^{a, b} Letras sobrescritas diferentes indicam que as médias de hematócrito entre amostras positivas e negativas na PCR foram estatisticamente diferentes (P<0.05), considerando cada patógeno separadamente.

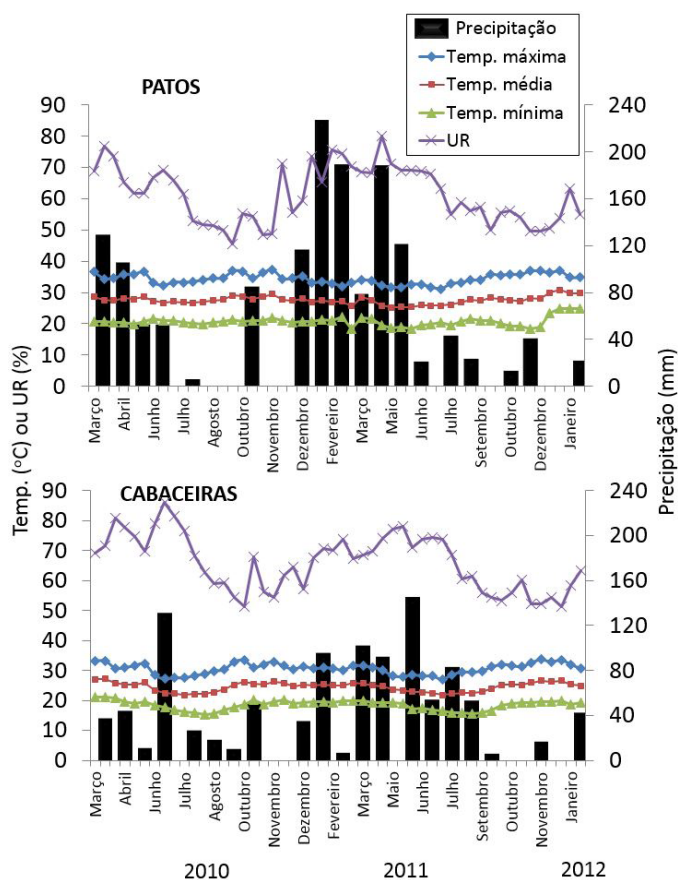


Fig. 2. Valores médios de temperatura (temp.) máxima, média e mínima, umidade relativa (UR) e valor total mensal de chuvas (precipitação) registrados para os Municípios de Patos e Cabaceira, Paraíba, de março/2010 a janeiro/2012.

DISCUSSÃO

No Brasil, a transmissão de *Babesia bigemina* e *Babesia bovis* aos bovinos está restrita à presença do carrapato *Rhipicephalus (Boophilus) microplus*, vetor biológico desses patógenos (Alonso et al. 1992). O risco de um bezerro infectar-se com *Babesia* sp. numa determinada região fisiográfica está relacionado a diversos fatores, tais como: a probabilidade de ser infestado por carrapatos infectados; número de picadas de carrapatos que os animais recebem diariamente e proporção da infecção por *Babesia* spp. nas larvas de *R. (B.) microplus* (Mahoney & Ross 1972). Por sua vez, o risco de carrapatos infectarem-se com *Babesia* sp. está relacionado com a prevalência da infecção no rebanho bovino. Através de modelos matemáticos, Smith (1983) encontrou que a manutenção de 10 a 40 teleóginas de *R. (B.) microplus* por animal/dia corresponderia a um nível de infestação adequado para manter um nível adequado de proteção de rebanhos *Bos taurus* contra quadros clínicos por *Babesia* spp., gerando uma estabilidade enzoótica, sem, contudo, acarretar prejuízos econômicos significativos ao sistema de produção.

Durante o estudo, a presença de animais infestados por *R. (B.) microplus* foi observada somente em duas propriedades (D e E). Mesmo nestas propriedades as infestações foram

baixas e de forma irregular nos diferentes meses do ano. Este fato provocou o estabelecimento de instabilidade enzoótica para ambas as espécies de *Babesia* na propriedade D, sendo que na propriedade E foi suficiente para a instalação da estabilidade para *B. bigemina*. A ausência ou ocorrência de baixa infestação do vetor biológico justifica a ocorrência de instabilidade enzoótica para *Babesia* spp. na maioria das propriedades localizadas no bioma da Caatinga Paraibana, conforme constatado em trabalhos recentes (Costa et al. 2011, 2013).

Nas duas propriedades onde ocorreu infecção de *Babesia* neste estudo, a incidência de *B. bigemina* foi maior do que a de *B. bovis*. Estudos têm mostrado que, em condições naturais, as frequências de infecção por *Babesia* spp. em larvas não alimentadas de *R. microplus* são baixas, sendo 0,04% para *B. bovis* e 0,23% para *B. bigemina*. Essa maior porcentagem de infecção por *B. bigemina* garantiria uma maior taxa de inoculação nos animais, resultando numa maior incidência desta espécie, quando comparada com *B. bovis* (Mahoney & Mirre 1971, Mahoney & Ross 1972, Quintão-Silva et al. 2007).

Apenas um genótipo de *B. bigemina* foi encontrado nas amostras sequenciadas de bovinos e de carrapatos das propriedades D e E, indicando ser o mesmo genótipo descrito na Argentina (Suarez et al. 2003). É possível que este genótipo esteja disseminado na América do Sul. As sequências de *B. bovis* foram representadas por dois genótipos, um inicialmente descrito no Sudeste (estado de São Paulo) e outro no Nordeste (estado da Bahia) (Ramos et al. 2012). Essa diversidade de genótipos encontrada no presente estudo deve ser considerada em futuros estudos de controle da TPB no sertão da Paraíba por meio de vacinas, uma vez a resposta imune protetora pode variar conforme a heterogeneidade da amostra de antígeno usada (Ramos et al. 2012).

Os valores de incidência da infecção por *Anaplasma marginale* indicam uma estabilidade enzoótica nas propriedades B, C, D e E, onde mais de 80% dos bezerros se infectaram antes de seis meses de idade. A ausência de infestações pelo carrapato *R. (B.) microplus* nas propriedades B e C durante o estudo reforça a importância de outras formas de transmissão de *A. marginale* entre bovinos no semiárido paraibano. Uma delas seria a transmissão mecânica, principalmente através de tabanídeos, conforme já demonstrado experimentalmente (Hawkins et al. 1982). O fato de vários bezerros já estarem infectados por *A. marginale* desde a primeira amostra de sangue colhida no primeiro mês de vida neste estudo poderia estar relacionado com os maiores picos populacionais de tabanídeos observados no início do estudo (Fig. 1). Por outro lado, esta infecção precoce poderia estar relacionada à transmissão congênita do agente, já comprovada para *A. marginale* em bovinos (Benesi et al. 1999, Silvestre et al. 2016). Por fim, não se pode descartar a transmissão iatrogênica, que não foi avaliada no presente estudo.

Este constitui o primeiro trabalho brasileiro onde foi realizada a identificação das espécies de tabanídeos que podem estar envolvidas na transmissão de *A. marginale*. Ressalta-se o predomínio da espécie *Tabanus claripennis*, ocorrendo principalmente nos períodos de chuva. Hawkins et al. (1982) verificaram que os tabanídeos são eficientes transmissores de *A. marginale*, bastando 10 picadas para transmitir a infecção de um bovino na fase aguda para o animal susceptível. A riquetsia permanece viável nas peças bucais até duas horas após o

repasto sanguíneo, facilitando a transmissão. Os tabanídeos são importantes vetores mecânicos por provocarem intensa reação no hospedeiro causando interrupção frequente do repasto sanguíneo, além de necessitar do repasto para o desenvolvimento dos ovos (Barros et al. 2003).

Trabalhos têm demonstrado, tanto no Brasil como nos Estados Unidos, que algumas amostras de *A. marginale* são transmitidas por carrapatos, enquanto outras são por via mecânica principalmente por moscas hematófagas (Wickwire et al. 1987, Gonçalves Ruiz et al. 2005). As análises de sequenciamento de DNA de produtos amplificados por PCR mostraram que pelo menos três genótipos distintos de *A. marginale* circulam entre os bovinos do semiárido paraibano. Esses resultados corroboram o conceito de heterogenicidade genética de amostras de *A. marginale* descrita em diferentes países (Fuente et al. 2007). É possível que esta variabilidade de genótipos esteja relacionada com diferentes formas de transmissão, quer a biológica via carrapato ou a mecânica principalmente por moscas hematófagas. Outro fato que chama atenção é que as amostras de *A. marginale* detectadas na Caatinga apresentam alta similaridade com amostras descritas em cervídeos, sobretudo *Mazama gouazoubira* (Silveira et al. 2012). Como as criações de bovinos nas propriedades estudadas são do tipo extensivo podemos teorizar que a transmissão da anaplasmose no semiárido paraibano ocorre principalmente por tabanídeos e que os animais silvestres poderiam ter alguma importância como reservatórios da riquetsia. Muito embora a área do estudo esteja dentro da distribuição geográfica do cervídeo *Mazama gouazoubira* no Brasil (Black-Décima et al. 2010), a presença deste animal nas propriedades estudadas não pode ser confirmada com exatidão no presente estudo.

Neste estudo, nenhum dos 14 bezerros da propriedade A se infectou no primeiro ano de vida, indicando um cenário específico de instabilidade enzoótica nesta propriedade. Neste local não foi verificado a presença de *R. (B.) microplus*. Em um trabalho anterior realizado neste mesma propriedade (Costa et al. 2013), todas as 24 vacas amostradas foram sorologicamente negativas para *A. marginale* e *Babesia* spp. (M.B. Labruna, comunicação pessoal). Desta forma, mesmo com a presença de tabanídeos na área, a incidência zero de *A. marginale* nos bezerros se justifica pela possível ausência de animais portadores (ex. vacas infectadas). Esta situação demonstra que no semiárido, mesmo em condições de criação extensiva, podem ocorrer áreas livres da infecção. Animais provenientes destas propriedades devem merecer atenção ao serem comercializadas por correr alto risco de sofrerem infecção aguda com alta taxa de letalidade.

Os resultados de PCR deste estudo foram estatisticamente corroborados pelas dosagens de hematócritos dos bezerros, uma vez que houve associação significativa entre PCR positivo para *A. marginale* ou *B. bigemina* e menores valores de hematócrito. Tal associação se deve à patogenia da doença causada por esses dois agentes, que se caracteriza fundamentalmente por diminuição expressiva do número de eritrócitos (Bock et al. 2004, Facury-Filho et al. 2012). Por outro lado, esta diminuição é menos expressiva na doença causada por *B. bovis* (Bock et al. 2004), justificando a ausência de associação significativa entre PCR positivo para este agente e menores valores de hematócrito (Quadro 5).

CONCLUSÕES

O presente estudo demonstra que, mesmo avaliando apenas cinco propriedades rurais, a incidência dos agentes da tristeza parasitária bovina (TPB) ocorreu de forma heterogênea na região, corroborando o status de área de instabilidade enzoótica para TPB previamente relatado para o semiárido paraibano.

A vacinação de bezerros no primeiro ano de vida parece ser a alternativa mais viável para evitar surtos de TPB nas propriedades da região, assim como é empregada em outras áreas de instabilidade enzoótica do sul da América do Sul, áreas marginais da distribuição geográfica de *Rhipicephalus (Boophilus) microplus*.

Agradecimentos.- Este trabalho foi financiado pela Fundação de Amparo à Pesquisa do Estado de São Paulo (FAPESP processo 2009/53193-5), Conselho Nacional de Desenvolvimento Científico e Tecnológico (CNPq processo 552389/2009-9) e Coordenação de Aperfeiçoamento de Pessoal de Nível Superior (CAPES/PROEX 2327/2015).

REFERÊNCIAS

- Alonso M., Arellano-Sota C., Cereser V.H., Cordoves C.O., Guglielmo A.A., Kessler R., Mangold A.J., Nari A., Patarroyo J.H., Solari M.A., Veja C.A., Vizcaino O. & Camus C.A. 1992. Epidemiology of bovine anaplasmosis and babesiosis in Latin America and the Caribbean. *Rev. Scient. Tech. Off. Int. Epizoot.*, Paris, 11:713-733.
- Altschul S.F., Gish W., Miller W., Myers E.W. & Lipman D.J. 1990. Basic local alignment search tool. *J. Mol. Biol.* 215(3):403-410. [http://dx.doi.org/10.1016/S0022-2836\(05\)80360-2](http://dx.doi.org/10.1016/S0022-2836(05)80360-2). PMID:2231712.
- Andrade-Lima D. 1981. The Caatinga dominium. *Revta Bras. Bot.* 4:149-153.
- Barros A.T.M., Foil L.D. & Vazquez S.A.S. 2003. Mutucas (Diptera: Tabanidae) do Pantanal: Abundância Relativa e Sazonalidade na Sub-Região da Nhecolândia. *Bolm Pesquisa* 48, Embrapa Pantanal, Corumbá/MS, p.1-18.
- Benesi F.J., Howard D.L., Sá C.S.C. & Birgel Junior E.H. 1999. Relato de um caso de transmissão transplacentária de anaplasomose bovina: observações clínico-laboratoriais. *Revta Bras. Ciênc. Vet., Heredia*, 6(3):175-176.
- Black-Décima P., Rossi R.V., Vogliotti A., Cartes J.L., Maffei L., Duarte J.M.B., González S. & Juliá J.P. 2010. Brown brocket deer *Mazama gouazoubira* (Fischer, 1814), p.190-201. In: Duarte J.M.B. & González S. (Eds), *Neotropical Cervidology: Biology and Medicine of Latin American Deer*. Funep, Japoticabal, Brazil; IUCN, Gland, Suíça.
- Bock R., Jackson L., De Vos A. & Jorgensen W. 2004. Babesiosis of cattle. *Parasitology* 129(Suppl.7):S247-S269. <http://dx.doi.org/10.1017/S0031182004005190>. PMID:15938514.
- Brown W.C., Norimine J., Knowles D.P. & Goff W.L. 2006. Immune control of *Babesia bovis* infection. *Vet. Parasitol.* 138(1/2):75-87. <http://dx.doi.org/10.1016/j.vetpar.2006.01.041>. PMID:16510249.
- Costa V.M.M., Ribeiro M.F.B., Duarte A.L.L., Manguiera J.M., Pessoa A.F.A., Azevedo S.S., Barros A.T.M., Riet-Correa F. & Labruna M.B. 2013. Seroprevalence and risk factors for cattle anaplasmosis, babesiosis, and trypanosomosis in a Brazilian semi-arid region. *Revta Bras. Parasitol. Vet.* 22(2):207-213. <http://dx.doi.org/10.1590/S1984-29612013005000022>. PMID:23802235.
- Costa V.M.M., Rodrigues A.L., Medeiros J.M.A., Labruna M.B., Simões S.V.D. & Riet-Correa F. 2011. Tristeza parasitária bovina no Sertão da Paraíba. *Pesq. Vet. Bras.* 31(3):239-243. <http://dx.doi.org/10.1590/S0100-736X2011000300009>.
- Facury-Filho E.J., Carvalho A.Ú., Ferreira P.M., Moura M.F., Apolinário B.C., Santos L.P. & Ribeiro M.F. 2012. Effectiveness of enrofloxacin for the treatment of experimentally-induced bovine anaplasmosis. *Revta Bras. Parasitol. Vet.* 21(1):32-36. <http://dx.doi.org/10.1590/S1984-29612012000100007>. PMID:22534942.

- Fuente J., Ruybal P., Mtshali M.S., Naranjo V., Shuqing L., Mangold A.J., Rodríguez S.D., Jiménez R., Vicente J., Moretta R., Torina A., Almazán C., Mbatí P.M., Echaide S.T., Farber M., Rosario-Cruz R., Gortazar C. & Kocan K.M. 2007. Analysis of world strains of *Anaplasma marginale* using major surface protein 1a repeat sequences. *Vet. Microbiol.* 119(2/4):382-390. <http://dx.doi.org/10.1016/j.vetmic.2006.09.015>. PMID:17084044.
- Guglielmone A.A. 1995. Epidemiology of babesiosis and anaplasmosis in South and Central America. *Vet. Parasitol.* 57(1/3):109-119. [http://dx.doi.org/10.1016/0304-4017\(94\)03115-D](http://dx.doi.org/10.1016/0304-4017(94)03115-D). PMID:7597777.
- Hawkins J.A., Love J.N. & Hidalgo R.J. 1982. Mechanical transmission of anaplasmosis by tabanids (Diptera: Tabanidae). *Am. J. Vet. Res.* 43(4):732-734. PMID:7073099.
- James M.A., Coronado A., Lopez W., Melendez R. & Ristic M. 1985. Seroepidemiology of bovine anaplasmosis and babesiosis in Venezuela. *Trop. Anim. Health Prod.* 17(1):9-18. <http://dx.doi.org/10.1007/BF02356127>. PMID:3887703.
- Krolow T.K., Krüger R.F. & Ribeiro P.B. 2007. Chave pictórica para os gêneros de Tabanidae (Insecta: Diptera) do bioma Campos Sulinos, Rio Grande do Sul, Brasil. *Biota Neotrop.* 7(2):253-264. <http://dx.doi.org/10.1590/S1676-06032007000200028>.
- Magonigle R.A. & Newby T.J. 1984. Response of cattle upon exposure to *Anaplasma marginale* after elimination of chronic carrier infections. *Am. J. Vet. Res.* 45(4):695-697. PMID:6731981.
- Mahoney D.F. & Mirre G.B. 1971. Bovine babesiasis: estimation of infection rates in the tick vector *Boophilus microplus* (Canestrini). *Ann. Trop. Med. Parasitol.* 65(3):309-317. <http://dx.doi.org/10.1080/00034983.1971.11686759>. PMID:4999518.
- Mahoney D.F. & Ross D.R. 1972. Epizootiological factors in the control of bovine babesiosis. *Aust. Vet. J.* 48(5):292-298. <http://dx.doi.org/10.1111/j.1751-0813.1972.tb05160.x>. PMID:4672119.
- Quintão-Silva M.G., Melo M.N. & Ribeiro M.F.B. 2007. Comparison of duplex PCR and microscopic techniques for identification of *Babesia bigemina* and *Babesia bovis* in engorged females ticks of *Boophilus microplus*. *Zoonoses Public Health* 54(3/4):147-151. <http://dx.doi.org/10.1111/j.1863-2378.2007.01037.x>. PMID:17456146.
- Ramos C.A.N., Araújo F.R., Alves L.C., Souza I.I.F., Guedes Junior D.S. & Soares C.O. 2012. Genetic conservation of potentially immunogenic proteins among Brazilian isolates of *Babesia bovis*. *Vet. Parasitol.* 187(3/4):548-552. <http://dx.doi.org/10.1016/j.vetpar.2012.01.020>. PMID:22309798.
- Ruiz P.M., Passos L.M. & Ribeiro M.F. 2005. Lack of infectivity of a Brazilian *Anaplasma marginale* isolate from *Boophilus microplus* ticks. *Vet. Parasitol.* 128(3/4):325-331. <http://dx.doi.org/10.1016/j.vetpar.2004.11.017>. PMID:15740870.
- Sacco A.M.S. 2002. Controle de Surtos de Tristeza Parasitária Bovina. *Circ. Téc.* 26, Embrapa Pecuária Sul, Bagé. 4p.
- Santos G.B., Gomes I.M., Silveira J.A.G., Pires L.C.S.R., Azevedo S.S., Antonelli A.C., Ribeiro M.F.B. & Horta M.C. 2017. Tristeza parasitária em bovinos do semiárido pernambucano. *Pesq. Vet. Bras.* 37(1):1-7. <http://dx.doi.org/10.1590/s0100-736x2017000100001>.
- Silva J.B., Gonçalves L.R., Varani A.M., André M.R. & Machado R.Z. 2015. Genetic diversity and molecular phylogeny of *Anaplasma marginale* studied longitudinally under natural transmission conditions in Rio de Janeiro, Brazil. *Ticks Tick Borne Dis.* 6(4):499-507. <http://dx.doi.org/10.1016/j.ttbdis.2015.04.002>. PMID:25985719.
- Silveira J.A., Rabelo E.M. & Ribeiro M.F. 2012. Molecular detection of tick-borne pathogens of the family Anaplasmataceae in Brazilian brown brocket deer (*Mazama gouazoubira* Fischer, 1814) and marsh deer (*Blastocerus dichotomus* Illiger, 1815). *Transbound. Emerg. Dis.* 59(4):353-360. <http://dx.doi.org/10.1111/j.1865-1682.2011.01278.x>. PMID:22136597.
- Silvestre B.T., Silveira J.A., Meneses R.M., Facury-Filho E.J., Carvalho A.U. & Ribeiro M.F. 2016. Identification of a vertically transmitted strain from *Anaplasma marginale* (UFMG3): molecular and phylogenetic characterization, and evaluation of virulence. *Ticks Tick Borne Dis.* 7(1):80-84. <http://dx.doi.org/10.1016/j.ttbdis.2015.09.001>. PMID:26381444.
- Smith R.D. 1983. *Babesia bovis*: computer simulation of the relationship between the tick vector, parasite, and bovine host. *Exp. Parasitol.* 56(1):27-40. [http://dx.doi.org/10.1016/0014-4894\(83\)90094-2](http://dx.doi.org/10.1016/0014-4894(83)90094-2). PMID:6873224.
- Souza F.A.L. 2011. Babesiose e anaplasmoze em rebanhos bovinos leiteiros do Estado do Piauí, Brasil. Dissertação de Mestrado, Universidade Federal do Piauí, Teresina. 74p.
- Suarez C.E., Palmer G.H., Florin-Christensen M., Hines S.A., Hotzel I. & McElwain T.F. 2003. Organization, transcription, and expression of rho-tryptophan associated protein genes in the *Babesia bigemina* rap-1 locus. *Mol. Biochem. Parasitol.* 127(2):101-112. [http://dx.doi.org/10.1016/S0166-6851\(02\)00311-0](http://dx.doi.org/10.1016/S0166-6851(02)00311-0). PMID:12672519.
- Trindade H.I. 2010. Soroprevalência de tristeza parasitária em bezerros na região de Araguaína, Estado de Tocantins, Brasil. Dissertação de Mestrado, Universidade Federal do Tocantins, Araguaína. 71p.
- Turcatel M., Carvalho C.J.B. & Rafael J.A. 2007. Mutucas (Diptera: Tabanidae) do estado do Paraná, Brasil: chave de identificação pictórica para subfamílias, tribos e gêneros. *Biota Neotrop.* 7(2):265-278. <http://dx.doi.org/10.1590/S1676-06032007000200029>.
- Wickwire K.B., Kocan K.M., Barron S.J., Ewing S.A., Smith R.D. & Hair J.A. 1987. Infectivity of three *Anaplasma marginale* isolates for *Dermacentor andersoni*. *Am. J. Vet. Res.* 48(1):96-99. PMID:3826850.
- Wright I.G. 1990. Immunodiagnosis and immunoprophylaxis against the haemoparasites *Babesia* sp. and *Anaplasma* sp. in domestic animals. *Rev. Scient. Tech. Off. Int. Epizoot.*, Paris, 9(2):345-356.