



Universidade: presente!



21.25. OUTUBRO • CAMPUS DO VALE

XXXI SIC

DETECÇÃO E CARACTERIZAÇÃO DE PARAMIXOVÍRUS EM MORCEGOS HEMATÓFAGOS (*Desmodus rotundus*) DO RIO GRANDE DO SUL



Juliana do Canto Olegário e Cláudio Wageck Canal
Laboratório de Virologia Veterinária, Faculdade de Veterinária, UFRGS

INTRODUÇÃO

O papel dos morcegos na transmissão de agentes virais é de extrema relevância em saúde pública, visto que certas espécies servem como **reservatórios naturais** para diversos **vírus importantes** como:

Sarampo
Caxumba
Cinomose Canina
Doença de Newcastle
Peste Bovina

Os dois últimos fazem parte da família *Paramyxoviridae*, cujos integrantes incluem vírus causadores de **doenças importantes** em humanos e animais. Existem relatos de detecções de outros membros da família em uma grande variedade de morcegos, principalmente em espécies frugívoras e insetívoras.

Vírus da raiva
Coronavírus causador da SARS
Vírus Hendra e Nipah

No Brasil, o morcego-vampiro (*Desmodus rotundus*) apresenta um **alto potencial** para a transmissão de doenças interespecíficas, mas a diversidade de patógenos que ele pode carrear ainda não é bem esclarecida.

Abundância
Hábito alimentar hematófago
Comportamento social

Sendo assim, objetivo deste trabalho foi detectar e caracterizar paramixovírus em morcegos hematófagos (*Desmodus rotundus*) do Rio Grande do Sul necropsiados em 2017.

MATERIAIS E MÉTODOS + RESULTADOS

18 morcegos
(*Desmodus rotundus*)
10 de Maquiné
5 de São Sebastião do Cai
3 de Estância Velha

Para cada cidade:

Pool de vísceras
(encéfalo, coração, rim, fígado e pulmão)
&
Pool de intestinos

Sequenciamento de Alto Desempenho (HTS)

2 pools:
5 contigs virais

Identidade com paramixovírus de morcego

Pool de intestinos de Maquiné & Pool de vísceras de São Sebastião do Cai

Identidade de nucleotídeo de 72% com gene L de paramixovírus de morcego já descrito

Sequenciamento de Sanger de uma amostra

6 morcegos positivos

Nested-PCR com iniciadores pan-paramixovírus

Pools de órgãos de cada indivíduo dos 2 pools positivos

Novo gênero proposto *Shaanvirus*

DISCUSSÃO

- Os cinco contigs virais e a sequência parcial do gene L obtidos no HTS e no Sequenciamento de Sanger, respectivamente, obtiveram maior identidade com sequências já descritas de **paramixovírus de morcego** pertencente ao ***Shaanvirus***, um **provável novo gênero** ainda não caracterizado pertencente à família *Paramyxoviridae*.
- Até o momento, apenas três genomas completos e diversos pequenos fragmentos do gene L do proposto *Shaanvirus* foram detectados em morcegos insetívoros e frugívoros na China e Coreia, não havendo dados sobre possível patogenicidade e transmissão para outras espécies.
- O presente trabalho apresenta a **primeira detecção** de um provável membro do proposto gênero *Shannvirus* em **órgãos de morcegos hematófagos**.