



# Universidade: presente!

UFRGS  
PROPESQ



## XXXI SIC

21.25. OUTUBRO. CAMPUS DO VALE

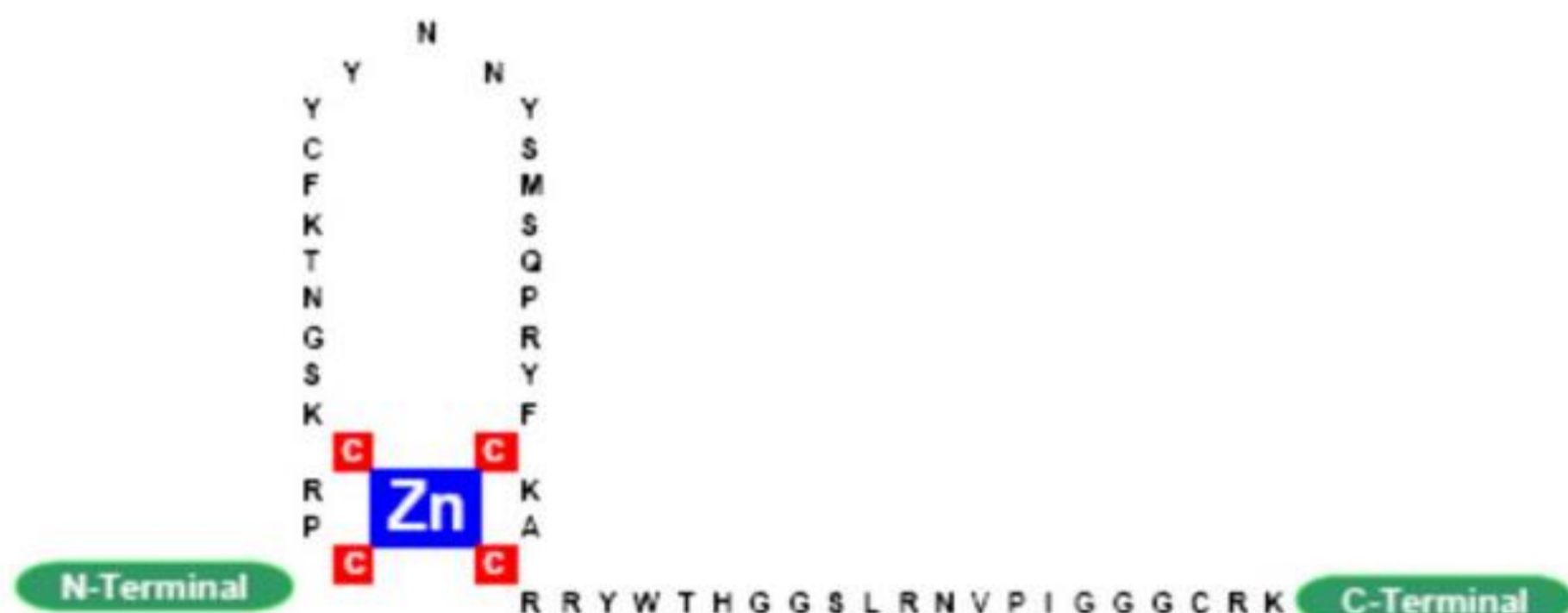
## Caracterização Físico-Química e Funcional de Fatores de Transcrição Dof de *Eucalyptus grandis*

Yuri da Rosa Rigo, Giancarlo Pasquali

Departamento de Biologia Molecular e Biotecnologia do Instituto de Biociências e Laboratório de Biologia Molecular Vegetal do Centro de Biotecnologia, Universidade Federal do Rio Grande do Sul – Porto Alegre, RS, Brasil

### INTRODUÇÃO

A regulação da gênese da madeira representa uma das áreas de mais alta complexidade no estudo de plantas.

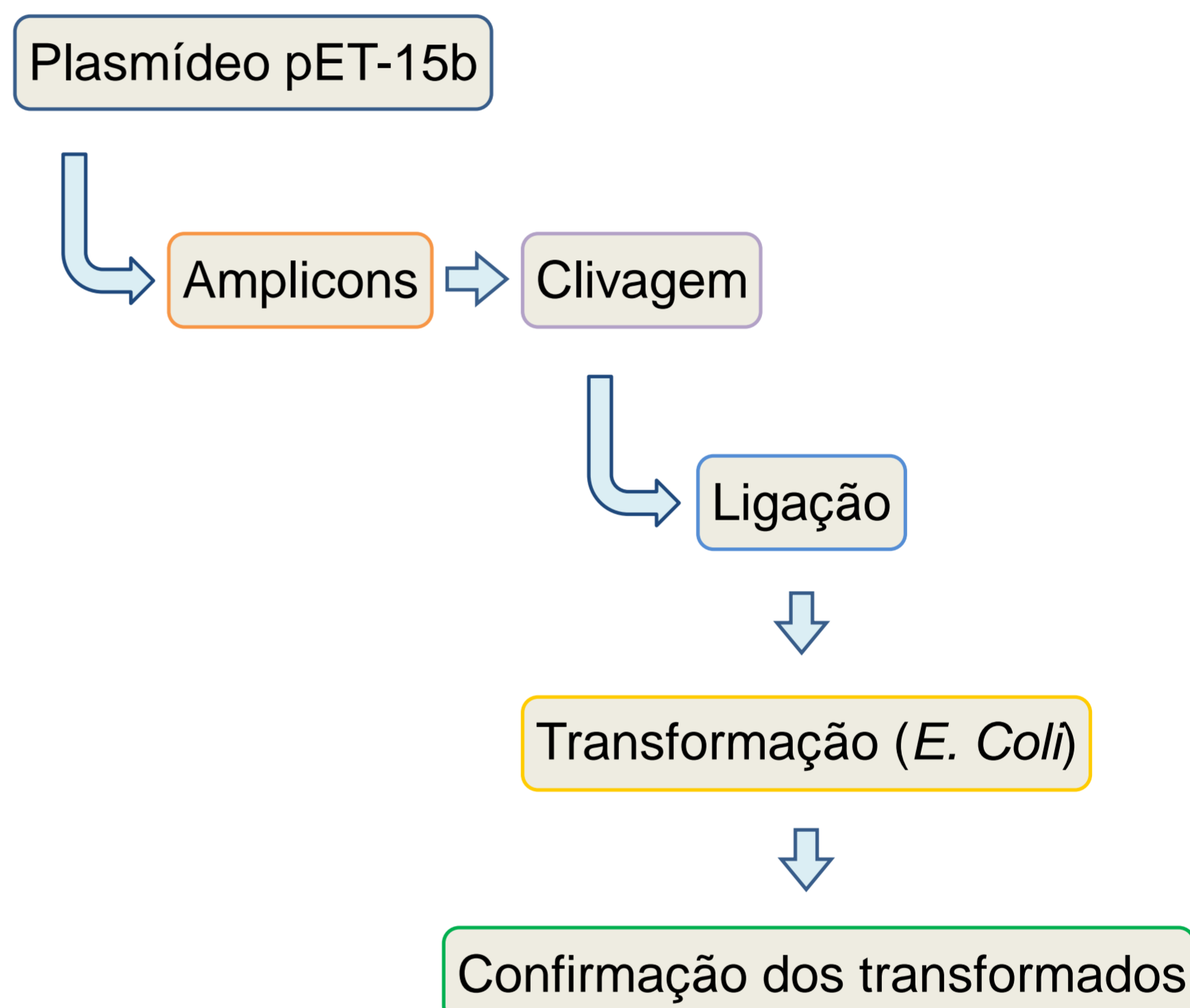


Considerando o número de fatores Dof descritos em plantas bem como a diversidade de metabolismos controlados por estas proteínas, a manipulação gênica dos genes codificadores oferece grande potencial para a obtenção de plantas mais produtivas ou com características mais benéficas às práticas agrossilviculturais. A partir de resultados anteriormente obtidos pelo grupo com a caracterização filogenética e dos perfis de expressão dos genes *Dof* de *Eucalyptus grandis*, foram identificados três genes *Dof* de *E. grandis* com perfil de expressão preferencial em tecidos vasculares, os genes *K00405*, *D00607* e *D01698*;

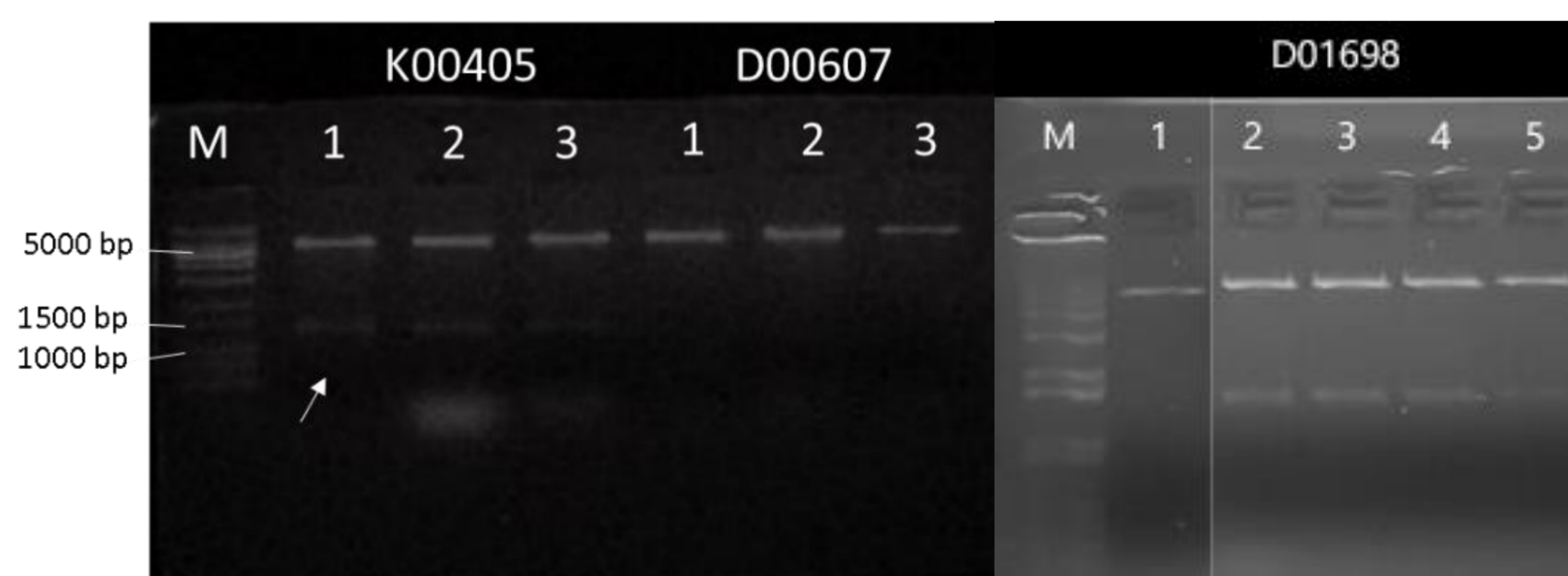
### OBJETIVO

- Obtenção e purificação das proteínas codificadas por *K00405*, *D00607* e *D01698*;

### MÉTODOS



### RESULTADOS



### DISCUSSÃO E CONCLUSÃO

Confirmadas as bandas de tamanho esperado, os genes em pET-15b foram então sequenciados integralmente, comprovando-se a identidade das sequências. As três

ORFs foram amplificadas e inseridas em *E. coli* Lemo21(DE3) para futura expressão, purificação e caracterização das proteínas Dof de *E. grandis*.