



Evento	Salão UFRGS 2020: SIC - XXXII SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS
Ano	2020
Local	Virtual
Título	Existe uniformidade em análises biométricas de frutos de jervá realizadas por diferentes usuários?
Autor	RODRIGO SILVEIRA DOS SANTOS
Orientador	ENÉAS RICARDO KONZEN

Existe uniformidade em análises biométricas de frutos de jerivá realizadas por diferentes usuários?

Autor: Rodrigo Silveira dos Santos

Orientador: Enéas Ricardo Konzen

Instituição: Centro de Estudos Costeiros Limnológicos e Marinhos – Universidade Federal do Rio Grande do Sul

A palmeira jerivá é nativa do Brasil, ocorrendo naturalmente desde o norte do país até o Rio Grande do Sul, além de países vizinhos da América do Sul. É muito utilizada como planta ornamental, e seus frutos carnosos são importantes para a fauna nativa e para consumo humano, possuindo, assim, importância econômica e podendo ser utilizada para ações de recuperação de áreas degradadas. Para auxiliar os esforços de conservação do jerivá, uma compreensão da dimensão dos seus recursos genéticos é necessária. Para isso, é importante a análise de características fenotípicas da espécie. O uso de programas computacionais para a medição de variáveis morfométricas de frutos e sementes é uma alternativa com potencial à obtenção de estimativas mais precisas, entretanto variações devido à realização das medidas por diferentes usuários podem ocorrer mesmo nestes programas, quando ajustes manuais são necessários. Esse trabalho visou verificar se os dados coletados utilizando o aplicativo SmartGrain, por três usuários diferentes, são estatisticamente semelhantes e podem ser utilizados em estudos posteriores. Coletou-se um total de 639 frutos de oito árvores no município de Venâncio Aires-RS, sendo que de um exemplar coletou-se 79 e dos demais 80 frutos. Todos os frutos foram medidos uma vez por cada usuário. Duas variáveis foram avaliadas: comprimento longitudinal e comprimento transversal, calculando-se a média, o desvio padrão e o erro padrão. Os dados foram analisados quanto a sua adequação à normalidade e homogeneidade de variâncias e, em seguida, passaram por análise de variância. Concluiu-se que os dados coletados não apresentaram diferença entre os usuários à 5% de significância. Isso sugere que diferentes usuários podem realizar as análises com uma pequena margem de erro, entretanto, recomenda-se que somente um usuário faça a análise de um conjunto de dados, de modo que parâmetros mais sensíveis, como os genéticos, sejam estimados com precisão.

Apoio financeiro: FAURGS