



**XXXIII SIC** SALÃO INICIAÇÃO CIENTÍFICA

|                   |   |
|-------------------|---|
| <b>Evento</b>     | Salão UFRGS 2021: SIC - XXXIII SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS   |
| <b>Ano</b>        | 2021  |
| <b>Local</b>      | Virtual   |
| <b>Título</b>     | Polimorfismo no gene codificador do fator inibidor da migração de macrófagos e sua associação com tuberculose |
| <b>Autor</b>      | ALANA AMBOS FREITAS   |
| <b>Orientador</b> | DENISE ROSSATO SILVA  |



## Salão Iniciação Científica

# 2021

Instituição de origem: Hospital de Clínicas de Porto Alegre/ Universidade Federal do Rio Grande do Sul

Orientadora/autora: Denise Rossato Silva

Aluna bolsista: Alana Ambos Freitas

### **RESUMO:**

**Título:** Polimorfismos no gene codificador do fator inibidor da migração de macrófagos e sua associação com tuberculose.

**Justificativa:** O estabelecimento de determinantes genéticos associados ao desenvolvimento da tuberculose (TB) é um desafio, considerando as frequências divergentes entre diferentes populações. Por isso, estudos sobre a relação entre os polimorfismos genéticos do MIF e a suscetibilidade à TB em várias populações e grupos étnicos são relevantes. **Objetivos:** O objetivo deste estudo foi avaliar, em um estudo caso-controle, a associação entre os polimorfismos no gene codificador do fator inibidor da migração de macrófagos (MIF -794 CATT<sub>5-8</sub> e MIF -173G>C) e a suscetibilidade à TB pulmonar em uma população do Sul do Brasil. **Metodologia:** Estudo caso-controle. Foram incluídos pacientes > 18 anos, com diagnóstico de TB pulmonar. O grupo controle consistiu de doadores de sangue e contatos domiciliares, não parentes, saudáveis e > 18 anos de idade. MIF -794 CATT<sub>5-8</sub> foram genotipados usando sequenciação de PCR e eletroforese capilar. Para o MIF -173G>C foi utilizado ensaio de genotipagem com sonda Taqman. **Resultados:** Para o estudo do MIF 794 CATT<sub>5-8</sub>, 126 pacientes e 119 controles foram analisados. O genótipo 5/5 foi mais frequente entre os casos (15,1%) do que nos controles (5,9%) ( $p = 0,019$ ). Os casos apresentaram mais frequentemente o alelo 5 (29,4%) em comparação aos controles (19,3%) ( $p = 0,010$ ). Para o estudo do MIF -173G>C, 174 pacientes e 166 controles foram analisados. A prevalência de genótipos GG (normal), GC (heterozigoto) e CC (homozigoto para mutação) foi de 197 (57,9%), 128 (37,6%) e 15 (4,4%), respectivamente. Não houve diferença estatisticamente significativa entre os casos e controles em relação à prevalência do genótipo, controlada por idade e sexo ( $p = 0,675$ ). Estudos adicionais, incluindo a quantificação dos níveis de MIF, são necessários para avaliar melhor a associação entre os polimorfismos MIF e a suscetibilidade à TB pulmonar.

Porto Alegre, 22 de agosto de 2021.