



<b>Evento</b>	Salão UFRGS 2022: SIC - XXXIV SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS
<b>Ano</b>	2022
<b>Local</b>	Campus Centro - UFRGS
<b>Título</b>	Construção de uma biblioteca de código de barras do COI dos Discocephalinae (Hemiptera: Pentatomidae) presentes na coleção em álcool do Laboratório de Entomologia Sistemática
<b>Autor</b>	BRUNO ROCHA GIOZZA
<b>Orientador</b>	LUIZ ALEXANDRE CAMPOS

O código de barras de DNA tem sido utilizado como uma ferramenta auxiliar na identificação de espécies, notadamente útil em grupos com grande biodiversidade ou críspse interespecífica, além de permitir uma identificação rápida de espécimes de interesse econômico ou sanitário. Diversos gêneros de percevejos Discocephalinae, subfamília de Pentatomidae (Hemiptera: Heteroptera) apresentam espécies de difícil diferenciação morfológica e que causam prejuízos como pragas agrícolas. O presente trabalho tem como objetivo criar uma biblioteca de código de barras de DNA dos espécimes de Discocephalinae presentes na coleção em álcool do Laboratório de Entomologia Sistemática (LES). A obtenção dos dados se dará através da identificação morfológica, extração de DNA mitocondrial com kit comercial e amplificação por método PCR no Laboratório de Drosophila do Departamento de Genética e envio ao Laboratório de Análise Genética e Molecular (UNICAMP-SP) para sequenciamento do gene COI. Os 38 espécimes de Discocephalinae da coleção foram separados em tubos criogênicos individuais, receberam números de vouchers, foram identificados a nível de gênero com auxílio de estereomicroscópio e literatura taxonômica e tiveram seu habitus dorsal fotografado com o estereomicroscópio Nikon AZ100M do Departamento de Zoologia. Após a identificação, que resultou em 11 gêneros, foi produzida uma planilha com dados das sequências de COI de Discocephalinae já disponibilizadas nos sistemas BOLD e GenBank, somando 190 entradas. Comparando com a coleção do LES, pelo menos 5 lotes representam novidades, com 4 gêneros ainda não sequenciados: *Coriplatus* White, 1842, *Cromata* Ruckes, 1992, *Herrichella* Distant, 1911 e *Paralincus* Distant, 1911. Para os próximos passos, será feita a dissecação e preparação das genitálias para identificação a nível de espécie, a extração de DNA dos demais lotes e o envio para sequenciamento do gene COI, com a publicação dos dados em artigo e depósito das sequências no sistema BOLD.