



**REENCONTROS
NOVOS ESPAÇOS
OPORTUNIDADES**

XXXIV SIC Salão Iniciação Científica

**26 - 30
SETEMBRO
CAMPUS CENTRO**

Evento	Salão UFRGS 2022: SIC - XXXIV SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS
Ano	2022
Local	Campus Centro - UFRGS
Título	Detecção e análise filogenética do vírus da cinomose canina em cães domésticos e animais silvestres
Autor	MANOELA INACIA FERREIRA
Orientador	CLAUDIO WAGECK CANAL

O vírus da cinomose canina (CDV) pertencente ao gênero *Morbillivirus* da família *Paramyxoviridae*, representa um dos principais agentes patogênicos de cães domésticos. Entretanto, também já foram descritas infecções por CDV ou outros vírus do gênero morbilivírus em diversas espécies silvestres. O material genético viral do CDV é constituído por RNA fita simples que codifica seis proteínas estruturais. O diagnóstico molecular utiliza o gene N como alvo por ser conservado entre a espécie viral. Para filogenia, o gene de eleição é o H, pois possui maior variabilidade genética. Embora a cinomose seja uma doença prevalente no Brasil, os dados sobre o vírus são escassos, visto a importância da doença e a grande diversidade de hospedeiros silvestres. O objetivo deste trabalho é detectar e sequenciar as amostras positivas para CDV presentes em cães domésticos e animais silvestres atendidos no Hospital de Clínicas Veterinárias da UFRGS. O RNA é extraído através do protocolo Trizol-fenol e a detecção do gene N é realizada através de Nested-RT-PCR, amplificando um fragmento de 287 pb, assim como na detecção do gene H, que amplifica um fragmento de 870 pb. A visualização do resultado da eletroforese em gel de agarose 1,5% é possível através de um transiluminador de luz UV. Até o momento, 14 amostras de 12 de cães e 2 de animais silvestres foram recebidas, resultando em três amostras de cães positivas para CDV, as quais estão sendo processadas para futuro sequenciamento. Baseada na escassez de estudos sobre o CDV no Brasil, esta pesquisa contribuirá para a obtenção de dados que poderão fomentar futuras pesquisas, bem como produzir dados para o aperfeiçoamento de programas de controle da cinomose no Brasil.