

154

ASSOCIAÇÃO DE POLIMORFISMOS DO GENE DO ANGIOTENSINOGENIO E DO RECEPTOR TIPO 1 DE ANGIOTENSINA II COM O DESENVOLVIMENTO DE PRÉ-ECLÂMPZIA.*Mariana Rodrigues Botton, Caroline Abrão Dalmáz, Eliane Bandinelli, Cítânia Lucia Tedoldi, Israel Roisenberg (orient.) (UFRGS).*

O Sistema Renina-Angiotensina-Aldosterona (SRAA) é responsável pela vasoconstrição e aumento da volemia. O angiotensinogênio, componente do SRAA, é um potente vasoconstritor. Seu gene localiza-se no cromossomo 1q42-43 estendendo-se por 13 kb sendo composto por 5 exons. O gene AGTR1 localizado no cromossomo 3q21, codifica o receptor que reconhece a angiotensina II, principal efetora do SRAA. O objetivo do presente projeto foi investigar as relações entre os polimorfismos AGT M/T235, AGT T/M174 e AGTR1 do SRAA e a pré-eclâmpsia (PE). Foram estudadas 111 gestantes com PE e 164 gestantes normotensas do Hospital Nossa Senhora da Conceição. Para análise dos polimorfismos AGT M/T235, AGT T/M174 e AGTR1 A/C1166 as seqüências alvo foram amplificadas pela técnica de PCR seguido por clivagem com as enzimas de restrição MspI, NcoI e DdeI respectivamente. As freqüências alélicas e genotípicas foram comparadas por χ^2 . Todos os sistemas estão em equilíbrio de Hardy-Weinberg. No polimorfismo AGT M/T235, a freqüência do alelo T, no grupo com PE foi 59% e no grupo controle foi 52% ($p=0,1797$; OR=1,2857; IC=0,9107-1,8152). Para o polimorfismo AGT T/M174, a freqüência do alelo M foi de 13% no grupo com PE e 6% no grupo controle ($p=0,0080$; OR=2,3473; IC=1,2759-4,3183). Para o polimorfismo AGTR1 A/C1166 a freqüência do alelo C no grupo com PE foi 28% e 30% no grupo controle ($p=0,8257$; OR=0,9410; IC=0,6456-1,3717). As diferenças entre os dois grupos de indivíduos não foram estatisticamente significativas, com exceção do polimorfismo AGT T/M174. Os resultados sugerem que os polimorfismos AGT M/T235 e AGTR1 A/C1166 não estão associados à PE e o polimorfismo AGT T/M174 tem associação com o desenvolvimento da doença. (PIBIC).