

170

PROPRIEDADES ESTATÍSTICAS DO MÉTODO DA ANÁLISE DE FLUTUAÇÕES DESTENDENCIADAS EM SEQUÊNCIAS DE DNA. *Simone da Silva Martins, Silvia Regina Costa Lopes (orient.) (UFRGS).*

No estudo de séries temporais encontramos diversos artigos que apresentam longa dependência em seqüências de DNA, ou seja, mesmo para tempos distantes a correlação entre as variáveis aleatórias não é desprezível. Sabe-se que as seqüências de DNA são divididas em regiões codantes e não codantes, e que por razões desconhecidas, as regiões não codantes não sofrem tantas mudanças durante a duplicação do DNA quanto as regiões codantes. Por isso a longa dependência é mais evidente nas regiões não codantes. Neste trabalho verificamos a existência ou não de longa dependência nas duas regiões de uma seqüência de DNA. Para isso utilizamos diferentes métodos de estimação para o parâmetro d , que caracteriza a longa dependência, através de diversas seqüências de DNA. O objetivo deste trabalho é analisar as propriedades estatísticas do método Análise de Flutuações Destendenciadas, denotado por DFA, comparando-o com métodos de estimação das classes paramétrica e semiparamétrica já consagrados na literatura. (Fapergs).