

205

ESTUDO FILOGENÉTICO DO GRUPO DILATATA DO GÊNERO PASPALUM L. (POACEAE). Rogéria Beatriz Miz, Tatiana Teixeira de Souza Chies (orient.) (Departamento de Botânica, Instituto de Biociências, UFRGS).

Paspalum é um dos gêneros economicamente mais importantes da tribo Paniceae pelo valor forrageiro de suas espécies. No Brasil é citada a ocorrência de 220 espécies. Para o Rio Grande do Sul são citados vinte grupos distintos, tendo destaque o grupo Dilatata na área subtropical pelo interesse em *P.dilatatum* comum como planta forrageira. Este biótipo apresenta sensibilidade ao ataque do fungo *Claviceps paspali* e reproduz-se por apomixia, o que têm sido um obstáculo para esta espécie. O conhecimento quanto ao relacionamento filogenético entre indivíduos de *P.dilatatum* e entre espécies diplóides e demais espécies do grupo Dilatata do gênero *Paspalum* permitirá a conquista de dados imprescindíveis para o melhoramento deste importante recurso natural. Para o conhecimento das relações filogenéticas do grupo Dilatata foram utilizados dados de seqüências do ITS do rDNA, do espaçador psbA-trnH e do íntron trnL do cpDNA. A extração do DNA foi realizada a partir de folhas secas utilizando a técnica de CTAB. A amplificação dos fragmentos foi realizada por PCR específico. O material amplificado foi purificado enzimaticamente e seqüenciado automaticamente. Os alinhamentos das seqüências foram realizados usando o programa Clustal X 1.81. As análises filogenéticas foram realizadas com o programa PAUP 4.0b10. As árvores filogenéticas foram calculadas utilizando-se Máxima Parcimônia. A busca da solução mais parcimoniosa foi realizada pelo método heurístico com TBR. Foi aplicado o teste de reamostragem de Bootstrap. Dentre as três matrizes a que apresentou os melhores resultados (melhor resolução filogenética) foi o espaçador ITS, no entanto a matriz combinada dos três fragmentos foi a que apresentou o menor número de árvores. Um resultado bastante interessante foi a aproximação de *P.lividum* aos táxons do grupo Dilatata sugerindo ser este um possível progenitor deste grupo. (FAPERGS/IC).