

**INTRODUÇÃO E OBJETIVO:** Estudos recentes têm demonstrado a existência de proteínas de interesse biotecnológico no veneno da lagarta *Lonomia obliqua*. Dentre as atividades biológicas podemos citar proteínas com atividades anti-hemostáticas, antimicrobiana, antiapoptótica, dentre outras. Com base nessas informações, o presente trabalho teve por objetivo construir bacmídios recombinantes contendo as sequências que codificam três proteínas do veneno – uma transferrina, uma glicoproteína e uma lipocalina. Esses bacmídios serão empregados, posteriormente, na expressão das proteínas de interesse em células de inseto Sf9. **MÉTODO:** Para a síntese dos cDNAs, o RNA de lagartas *L. obliqua* foi extraído com o reagente Trizol e empregado em reações em cadeia da polimerase empregando transcriptase reversa (RT-PCR). O cDNA obtido foi utilizado em reações em cadeia da polimerase (PCR) com *primers* específicos para cada proteína de interesse, com base nas respectivas sequências depositadas no banco de dados GenBank. Sítios de restrição foram inseridos em cada cDNA para ligação ao plasmídio doador pFastBacDual. Os plasmídios recombinantes serão selecionados em *Escherichia coli* Top 10 e, posteriormente, empregados na transformação de *E. coli* DH10Bac, para a obtenção dos bacmídios recombinantes. **RESULTADOS:** Até o momento, foram obtidos os cDNAs de interesse, os quais foram submetidos a reações de restrição enzimática, juntamente com o plasmídio. Após a ligação de cada cDNA ao pFastBacDual, células de *E. coli* Top 10 foram transformadas com os plasmídios recombinantes. As colônias obtidas estão em fase de confirmação da presença do inserto. **CONCLUSÃO:** A obtenção dos cDNAs do veneno da lagarta *L. obliqua* e a posterior confirmação de clones permitem a construção de bacmídios, os quais poderão ser empregados na expressão, em grande escala no laboratório, de proteínas de interesse biotecnológico em sistema baculovírus/células Sf9.