

A rotação dos cultivos de arroz e soja pode beneficiar técnica e economicamente a região sul do estado do Rio Grande do Sul. Contudo, as condições de excesso hídrico (EH) nos solos propícios ao plantio de arroz limitam a produção de soja, pois o EH causa deficiência de oxigênio aos tecidos das plantas. O estresse afeta todas as fases do desenvolvimento da soja, inclusive a germinação, obrigando a ressemeadura da lavoura. O desenvolvimento de cultivares tolerantes ao EH permite minimizar essas perdas. Resultados anteriores do projeto mostram que há fontes de tolerância para a característica no germoplasma exótico, possibilitando o melhoramento genético. Atualmente linhas recombinates (LR) estão sendo desenvolvidas a partir dos cruzamentos entre os genótipos superiores para a característica e cultivares comerciais de soja. Entretanto, para a avaliação de um grande número de LR é desejável estabelecer uma metodologia de seleção em condições controladas de temperatura, pois este é o fator fundamental na definição do grau de hipóxia a que os tecidos sob EH são submetidos. O objetivo desta etapa do projeto é desenvolver uma metodologia que permita a avaliação de um grande número de genótipos ao mesmo tempo, em condições estáveis de temperatura. Um ensaio foi conduzido em BOD, a 25 °C, no delineamento totalmente casualizado com duas repetições, utilizando os genótipos BRS Charrua (sensível), PI 222550 e PI 181697 (tolerantes). Cinquenta sementes de cada genótipo foram dispostas em papel germiteste úmido, de acordo com o protocolo de análise de potencial de germinação, e submetidas aos tratamentos sem EH, EH por 3, 6 e 9 dias. Foi avaliado o número de plântulas normais e anormais germinadas. Os dados foram submetidos à análise de variância e indicam que há variação na tolerância ao (EH) entre os genótipos e entre os períodos de exposição ao EH. A cultivar Charrua apresentou menor tolerância, com grande redução na germinação registrada aos 3 dias de EH, enquanto que a redução de germinação nos genótipos PIs ocorreu partir de 6 dias de EH. Como esperado, o comportamento dos genótipos PIs não apresentou diferenças entre eles.

