

As variações individuais de memória têm origem multifatorial: fatores como a idade, atividades intelectuais e dieta podem influenciar o déficit de memória, entretanto há poucos estudos sobre a participação genética. A proteína fator neurotrófico derivado do cérebro (BDNF) possui um papel nas funções normais do cérebro, como o aprendizado e a memória, sendo importante na modulação da atividade e plasticidade sináptica. Sugere-se que o polimorfismo Val66Met do gene BDNF altere o empacotamento e o tráfico intracelular do precursor e a regulação da proteína madura. Outros estudos também sugerem que modificações no mecanismo de transmissão do neurotransmissor serotonina estão conectadas com alterações cognitivas, principalmente envolvendo a memória e linguagem. O polimorfismo T102C no gene que codifica o receptor 2A pode acarretar um efeito indireto na expressão de receptores. Este estudo procura analisar a participação dos genes BDNF e HTR2A sobre escores de memória no envelhecimento de pessoas sem nenhum tipo de demência declarada. A amostra é composta por 162 indivíduos acima de 50 anos (com média de $61.9 \pm 7,2$ anos), onde 79% são mulheres. A análise genética foi feita por PCR/RFLP e avaliações de cinco tipos de memória foram realizadas através dos testes de Weschler e Verbal de Rey. Os escores de memória foram ajustados por sexo e anos de estudo através de regressão linear múltipla, e as médias dos mesmos foram comparadas entre grupos de genótipos através de teste t. Das amostras avaliadas até o momento para o gene BDNF (n=67), 52,2% foram homozigotos para o alelo 66Met, 7,5% foram homozigotos para o alelo 66Val e 40,3% foram heterozigotos. Para o gene HTR2A (n=133), 12,8% foram homozigotos para o alelo 102T, 33,8% foram homozigotos para o alelo 102C e 53,4% foram heterozigotos. As frequências genotípicas estão em equilíbrio de Hardy-Weinberg. Ainda não foram observadas diferenças significativas entre as médias dos escores de memória de acordo com os genótipos. O estudo continua em andamento, e o aumento do tamanho amostral pode modificar estes resultados.