

O déficit de memória associado ao envelhecimento é definido como a diminuição de memória, na ausência de demência, ou de qualquer outra condição clínica ou psicopatológica que possa explicar tais problemas. Esta diminuição deve ser detectada por testes neuropsicológicos validados, e ocorrer a partir dos 50 anos. O número de trabalhos investigando a participação genética no déficit de memória ainda é escasso na literatura, portanto, o presente trabalho avalia três genes candidatos: os genes *APOC1* e *APOE*, que codificam as apolipoproteínas C1 e E, as únicas expressas no cérebro; e o gene *ECA*, codificante da enzima conversora de angiotensina, com papel importante na neurobiologia. Os polimorfismos investigados já foram associados com DA, mas poucos estudos até o momento avaliam sua influência sobre escores de memória. Neste estudo, foram analisados polimorfismos nos genes *APOC1*, *ECA* e *APOE* sobre escores de memória em voluntários a partir dos 50 anos sem nenhum tipo de demência declarada. Selecionou-se 136 voluntários de grupos de terceira idade da região do Vale dos Sinos (com idade média de $61.9 \pm 7,2$ anos, sendo 21% homens), para os quais cinco tipos de memórias foram analisados por meio dos testes Weschesler e Teste de Aprendizado Verbal de Rey. O DNA foi extraído a partir de sangue total, e a análise dos polimorfismos dos genes *APOC1* e *APOE* foi realizada através PCR-RFLP, e do gene *ECA* por PCR. Os escores de memória foram ajustados por sexo e anos de estudo através de regressão linear múltipla, e as médias dos mesmos foram comparadas entre os genótipos através de teste t. Até o momento, não foram observadas diferenças significativas entre as médias dos escores de memória de acordo com os genótipos dos três genes. Da amostra analisada, 9 voluntários tiveram a combinação dos genótipos *del(APOC1)/E*4(APOE)/II(ECA)*, e a diferença entre os escores de memória deste grupo e o restante da amostra não apresentou nenhuma diferença significativa. O estudo continua em andamento, com intuito de aumentar o tamanho amostral a fim de obter resultados mais consistentes.