

Integrans são sistemas de recombinação naturais que promovem a captura e expressão de cassetes gênicos, os quais se relacionam com genes de resistência, gerando fenótipos característicos de linhagens bacterianas multiresistentes. *Acinetobacter* são bactérias Gram-negativas não-fermentadoras e importantes patógenos oportunistas responsáveis por infecções nosocomiais e o tratamento destas infecções pode ser complicado pela multirresistência a antimicrobianos, observada em muitos destes isolados. Integrans têm sido encontrados em isolados clínicos e ambientais de *Acinetobacter* sp. e tem-se sugerido que os isolados multiresistentes poderiam agir como um reservatório de integrans. Este estudo visa investigar e caracterizar os integrans de classe I presentes em isolados clínicos de *Acinetobacter* sp. Um total de 20 cepas multiresistentes a antimicrobianos previamente isoladas e identificadas foi submetida à PCR utilizando os oligonucleotídeos iniciadores específicos 5'CS e 3'CS que amplificam a região variável do integron. Posteriormente foi realizada a eletroforese e os fragmentos obtidos foram cortados e purificados utilizando um kit comercial. O DNA obtido foi submetido ao sequenciamento da região 5' do fragmento. Nas cepas analisadas até o momento, observou-se uma grande variedade de perfis de fragmentos amplificados, os quais tinham de 600 a 2141 pares de bases. Apenas os fragmentos com maior intensidade no gel de agarose corado com brometo de etídeo foram sequenciados. De acordo com a análise do sequenciamento, os genes mais encontrados nestas cepas são os de resistência aos aminoglicosídeos (aacA4, aacC1 e aac (6')-Ib). Tais resultados estão de acordo com o fenótipo de resistência previamente observados nestas cepas. (Apoio: PIBIC, CNPq, CAPES-PROF)