

009

VALIDAÇÃO DE BIBLIOTECAS DE CDNA SUBTRAÍDAS DE MESOCESTOIDES CORTI (PLATYHELMINTHES, CESTODA).*Anelise Volkweiss, Cristiano V. Bizarro, Felipe K. Ricachenevsky, Mário H. Bengston, Mari C. Sogayar, Arnaldo Zaha, Henrique Bunselmeyer Ferreira**(orient.)* (Departamento de Biologia Molecular e Biotecnologia, Instituto de Biociências, UFRGS).

Mesocestoides corti é um endoparasita pertencente à classe Cestoda, utilizado como organismo-modelo para o estudo de aspectos relacionados a outros cestódeos, como os dos gêneros Echinococcus e Taenia, considerados de maior importância do ponto de vista médico, veterinário e econômico. Dentre as vantagens de sua utilização estão a fácil manipulação, a reprodução em grande quantidade da fase larval (tetratirídeo) em hospedeiros experimentais (ratos e camundongos), a diferenciação (estrobilização) das larvas em vermes adultos segmentados em condições controladas in vitro e o fato de não apresentar fase infecciosa ao homem. Para estudos de genes expressados diferencialmente durante o processo de estrobilização de tetratirídeos in vitro, foram construídas duas bibliotecas de cDNA subtraídas, uma enriquecida com seqüências expressadas no estágio larval e outra, com seqüências expressadas na fase adulta. Os insertos de aproximadamente 500 e 750 clones, respectivamente, de cada biblioteca foram seqüenciados e alguns deles terão seu padrão de expressão temporal diferencial confirmado por northern blot e RT-PCR, para validação das bibliotecas. Para tanto, estão sendo feitas extrações de RNA de tetratirídeos e de adultos segmentados em cultura, após indução de estrobilização por tratamento com tripsina. As larvas ou vermes utilizados nas extrações são selecionados um a um, para evitar contaminação com indivíduos em outro estágio de desenvolvimento e o rendimento médio das preparações obtidas até agora foi de 150ng/l de material biológico (tetratirídeos ou adultos). Financiado por FAPERGS, RTPD-Network, CAPES e CNPq.