

050

**A VARIABILIDADE GENÉTICA EM POPULAÇÕES NATURAIS DE CTENOMYS MINUTUS.***Priscila Farinha Nunes da Silva, Lígia Tchaika, Thales Renato Freitas (orient.) (Genética, UFRGS).*

A variabilidade genética encontrada em populações naturais constitui importante parcela da diversidade biológica existente. A estimativa desta variabilidade pode ser obtida a partir de marcadores moleculares, como os microssatélites, e tais informações podem ser empregados na inferência de estrutura populacional, fluxo gênico e outros fatores. Acerca destas questões, este trabalho tem por objetivo testar primers desenhados para loci de microssatélites para duas espécies co-genéricas, *C. haigi* e *C. sociabilis*, quanto a sua efetividade na caracterização das populações da espécie em estudo. A partir dos loci polimórficos, inferir a variabilidade genética existente nestas populações. As coletas foram realizadas com captura dos indivíduos através de armadilhas oneida-vitor n 0 sendo obtidas amostras de 50 e 52 indivíduos para duas populações que margeiam lados opostos da RS 030; 50 e 38 indivíduos para duas populações localizadas no município de Osório; e de 18 e 19 indivíduos para duas populações da região do Município de Torres. O DNA dos animais foi obtido a partir de fragmentos de tecido da cauda submetidos a técnica de extração com sal. Foram analisados até agora sete loci de microssatélite. Destes, um dos locus, Hai1, se apresentou monomórfico. Os loci restantes mostraram-se polimórficos, somando um total de 27 alelos diferentes, sendo observada a seguinte variação no número e tamanho dos alelos (em pb): Hai2 com 5 alelos variando de 168-176 pb, Hai3 com 10 alelos variando de 150-162 pb, Hai4 com 7 alelos variando de 154-176 pb e Hai 12 com 5 alelos variando de 126-140 pb. Os dois loci restantes (Hai5 e Soc7) ainda estão sendo analisados. (FAPERGS/IC).