

Sessão 11

GENÉTICA MOLECULAR B

090

EXPRESSÃO E CARACTERIZAÇÃO DAS SUBUNIDADES RECOMBINANTES DE AGB8/4 E AGB8/5 DO ANTÍGENO B DE ECHINOCOCCUS GRANULOSUS. Edileuza Danieli da Silva, Martín Cancela, Arnaldo Zaha (*orient.*) (UFRGS).

O *Echinococcus granulosus* é um platelminto da classe Cestoda, família Taeniidae, cuja fase larval (cisto hidático ou metacestódeo) se desenvolve nas vísceras dos hospedeiros intermediários, causando a doença chamada hidatidose cística. O cisto hidático possui uma estrutura unilocular com uma cavidade interna preenchida por um líquido denominado líquido hidático. O cisto é formado por uma camada adventícia externa, uma laminar intermediária, e uma germinativa interna, de onde proliferam as cápsulas prolíferas que contêm os protoescólices, estágio infectante para o hospedeiro definitivo (canídeos). O antígeno B é uma lipoproteína de aproximadamente 120-160 kDa, formada por subunidades de 8 kDa, encontrada em grande quantidade no líquido hidático, protoescólices e camadas do cisto. Além disso, suas características imunogênicas têm promovido seu uso no diagnóstico da hidatidose cística. A função biológica do antígeno B ainda não está bem definida, mas fortes evidências sugerem um papel importante na interação parasito-hospedeiro, especialmente relacionado à evasão da resposta imune. As subunidades que formam o antígeno B são codificadas por uma família multigênica, sendo que até o momento foram identificadas cinco subunidades diferentes AgB8/1, AgB8/2, AgB8/3, AgB8/4 e AgB8/5. O objetivo deste projeto é clonar a seqüência codificadora das subunidades AgB8/4 e AgB8/5 e expressar as proteínas recombinantes, para estudos funcionais e estruturais dessas subunidades. Para tal foram projetados *primers* para amplificar a seqüência codificadora completa dessas subunidades. Os produtos amplificados serão então clonados por recombinação homóloga no vetor pGEX para expressão das subunidades recombinantes em fusão com a GST. As proteínas recombinantes obtidas poderão ser utilizadas para estudos bioquímicos e análise estrutural dos diferentes oligômeros do AgB assim como para estudos funcionais que permitam compreender o papel desta proteína na interação hospedeiro-parasito.