

097

ESTUDO DA EXPRESSÃO DE PROTEÍNAS ORTÓLOGAS DA HINDSIGHT E DA X-BOX BINDING PROTEIN DURANTE A ESTROBILIZAÇÃO DE MESOCESTOIDES CORTI (PLATYHELMINTHES, CESTODA). *Caroline Borges Costa, Karina Mariante Monteiro, Arnaldo**Zaha, Henrique Bunselmeyer Ferreira (orient.) (UFRGS).*

Mesocestoides corti é um platelminto endoparasita pertencente à classe Cestoda, a qual é a mesma de organismos de interesse médico, veterinário e econômico, como aqueles dos gêneros *Echinococcus* e *Taenia*. *M. corti* é um organismo de fácil manipulação, pois apresenta facilidade de obtenção de material biológico e disponibilidade de protocolos estabelecidos para seu cultivo e manutenção *in vivo* e *in vitro*. Pouco ainda é sabido sobre o desenvolvimento de cestódeos, apesar dos muitos estudos realizados sobre diferentes aspectos da biologia destes parasitos. Assim, o objetivo geral deste trabalho é a caracterização de genes e proteínas diferencialmente expressos durante a estrobilização (diferenciação da fase larval na de adulto) de *M. corti*. Em estudos anteriores, nosso grupo produziu bibliotecas de cDNA enriquecidas com seqüências diferencialmente expressas em larvas e vermes segmentados e seqüências de cDNAs correspondentes a genes conservados relacionados ao desenvolvimento foram selecionados para posterior caracterização. Dentre as seqüências selecionadas, estão dois cDNAs relacionados a proteínas ortólogas à *hindsight* (HNT) e à *X-box binding protein-1* (XBP-1). As seqüências dos cDNAs parciais correspondentes estão sendo clonadas por recombinação *in vivo* em vetor da série pGEX, visando à expressão em *Escherichia coli* como proteínas de fusão com a glutationa-S-transferase. As proteínas recombinantes serão utilizadas na imunização de camundongos para a produção de anti-soros policlonais monoespecíficos, os quais serão utilizados em ensaios imuno-enzimáticos para caracterização do padrão de expressão espaço-temporal destas proteínas nos estágios larval e adulto de *M. corti*. Até o momento, as seqüências foram amplificadas por PCR utilizando iniciadores contendo regiões (25 nt) de homologia com o vetor, para clonagem por recombinação *in vivo*. (PIBIC).