

133

ANÁLISE DO POLIMORFISMO GT DA REGIÃO PROMOTORA DO GENE DA ENZIMA HEME OXIGENASE I EM PACIENTES COM ARTRITE IDIOPÁTICA JUVENIL. *Matheus**Becker Freitas, Andrés Delgado Cañedo, Andréia Escosteguy Vargas, Daniel Garcia dos Santos, Angelica Cerveira de Baumont, Jose Artur Bogo Chies (orient.) (UFRGS).*

A heme oxigenase (HO-1) é uma enzima envolvida na degradação de grupos heme. A clivagem oxidativa do grupo heme resulta na formação de CO, Fe⁺² e biliverdina, sendo estes produtos da degradação relacionados com atividades antiinflamatórias e antioxidantes, dentre outras. As variantes gênicas de HO-1 mais estudadas correspondem a um polimorfismo de repetição dinucleotídico, [GT]_n, sendo esta região uma boa candidata para um polimorfismo funcional, uma vez que poderia modular a atividade transcricional do gene. Diversos estudos foram realizados na tentativa de associar o número de repetições GT e diversas patologias, sendo uma delas a Artrite Idiopática Juvenil (AIJ). A AIJ caracteriza-se por ser uma doença inflamatória crônica que acomete as articulações e outros órgãos, como a pele, os olhos e o coração em pacientes com menos de dezesseis anos. A principal manifestação clínica é a artrite, caracterizada por dor, aumento de volume e de temperatura de uma ou mais articulações. O objetivo de nosso trabalho é identificar uma possível associação do polimorfismo GT da região promotora do gene da enzima HO-1 em pacientes com artrite idiopática juvenil. Como metodologia, foram feitas reações de PCR, em amostras de um banco de 114 pacientes com artrite idiopática juvenil, com primers específicos para a região de repetição GT, sendo as amplificações visualizadas em gel de poliacrilamida 6%. Resultados: até o presente momento, utilizando marcadores com tamanho aproximado de 105 e 137pb foi possível categorizar os amplificadores como pertencentes a grupos com alto número (mais de 25 repetições) e baixo número de repetições. Esforços estão direcionados para a identificação de um marcador de peso molecular que possibilite identificar o número exato de repetições por alelo. (CNPq).