

Sessão 11  
GENÉTICA MOLECULAR B

088

**IDENTIFICAÇÃO DE PROTEÍNAS DIFERENCIALMENTE EXPRESSAS EM CRYPTOCOCCUS GATTII SOB LIMITAÇÃO DE FERRO.** Eder Silva de Oliveira, Juliana Crestani, Augusto Schrank, Marilene Henning Vainstein (orient.) (UFRGS).

O complexo de espécies *Cryptococcus neoformans* compreende as espécies *C. neoformans* e *C. gattii*, leveduras basidiomicéticas agentes causadores da criptococose, uma micose sistêmica que acomete principalmente os pulmões e o sistema nervoso central. Devido à baixa disponibilidade de ferro nos fluidos biológicos dos hospedeiros, a aquisição deste micronutriente por leveduras patogênicas se torna um importante aspecto da infecção. Estudos revelam que, em *C. neoformans*, os níveis deste micronutriente regulam dois importantes fatores de virulência também presentes em *C. gattii*: uma cápsula polissacarídica antifagocítica e a síntese do pigmento antioxidante melanina. Entretanto, até o momento, não há descrições sobre a conexão entre a utilização de ferro e a expressão de fatores vinculados à patogenicidade e virulência para a espécie *C. gattii*. Neste contexto, o presente trabalho tem por objetivo identificar as proteínas diferencialmente expressas em *C. gattii* sob limitação de ferro. No estudo foi utilizada a linhagem R265 de *C. gattii*. Foram realizados cultivos em meio LIM (*Low Iron Medium*) sem ferro adicionado e em meio LIM adicionado de 100 $\mu$ M de Fe-EDTA, incubados a 37°C por 12h, 200rpm. De cada cultivo foram extraídas proteínas totais das leveduras por maceração em nitrogênio líquido. A extração de proteínas totais do tratamento em meio LIM com adição de ferro e sem adição de ferro teve um rendimento de 1,382 mg mL<sup>-1</sup> e 0,692 mg mL<sup>-1</sup>, respectivamente. Após tratamento para remoção de contaminantes, os extratos protéicos foram preparados para confecção dos géis bidimensionais. A identificação das proteínas diferencialmente expressas será realizada por espectrometria de massas por MALDI-TOF/MS. (Fapergs).