

Sessão 25
GENÉTICA HUMANA C

221

AVALIAÇÃO DA DISTRIBUIÇÃO DO SNP T45G DO GENE DA ADIPONECTINA EM UMA AMOSTRA DE INDIVÍDUOS PERTENCENTES À COORTE DE 1982 DA CIDADE DE PELOTAS-RS.

Betânia Rodrigues dos Santos, Fabiana Fonseca dos Santos, Liziane Pereira da Silva, Gicele Costa Minten, Cristini Milech, Bernardo Lessa Horta, Poli Mara Spritzer, Isabel Oliveira de Oliveira (orient.) (UFPel).

A Adiponectina é uma proteína produzida pelo tecido adiposo que possui importantes efeitos fisiológicos, entre eles, o aumento da sensibilidade tecidual à insulina estando relacionada a algumas doenças metabólicas complexas. Pesquisas de genética populacional procuram avaliar a associação de genes com doenças de alta prevalência. O gene que codifica a proteína Adiponectina possui vários polimorfismos de nucleotídeo único (SNPs), os quais estão associados a baixos níveis de adiponectina circulante, resistência à insulina, Diabetes Mellitus tipo 2 e Síndrome Metabólica. O SNP 45 corresponde a uma substituição da base T pela G. O presente estudo teve como objetivo avaliar a distribuição do SNP T45G do gene da Adiponectina em uma amostra de indivíduos pertencentes à coorte de nascidos no ano de 1982 na cidade de Pelotas-RS. A amostra foi aleatória e consistiu de 778 indivíduos, sendo 387 homens (49, 7%) e 391 mulheres (50, 3%). A análise genética foi feita pela técnica de PCR-RFLP (Polimerase Chain Reaction – Restriction Fragment Length Polymorphism) com a enzima de restrição *AvaI*. A amostra estudada não se apresenta em Equilíbrio de Hard-Weinberg (EHW) ($\chi^2=5,75$). A distribuição dos genótipos foi de 0,76 para o homocigoto TT; de 0,21 para o heterocigoto GT e de 0,03 para o homocigoto GG. A frequência encontrada para o alelo G foi de 0,13 e para o alelo T de 0,87. Em ambos os sexos o genótipo mais frequente foi o TT (77, 5% no masculino e 74, 2% no feminino), seguido do GT (19, 4% no masculino e 22, 8% no feminino) e do GG (3, 1% no masculino e 3, 0% no feminino). Os resultados preliminares obtidos mostram uma baixa ocorrência dos genótipos mutados (GT e GG) na amostra. Pretende-se dar continuidade ao estudo analisando um maior número de indivíduos da coorte de 82, além de investigar possíveis associações do SNP 45 com componentes da Síndrome Metabólica.