

049

VARIABILIDADE GENÉTICA EM PASSIFLORA OVALIS VELL: EX ROEMER (PASSIFLORACEAE) INFERIDA ATRAVÉS DE MARCADORES MOLECULARES.

Caroline Gross Dutra, Priscilla Mena Zamberlan, Aline Pedroso Lorenz-Lemke, Teonildes Sacramento Nunes, Luciano Queiroz, Armando Carlos Cervi, Sandro Luis Bonatto, Francisco Mauro Salzano, Loreta Brandao de Freitas (orient.) (UFRGS).

A espécie *Passiflora ovalis* ocorre ao longo do litoral dos Estados de São Paulo, Rio de Janeiro, Espírito Santo, Bahia e Pernambuco, em áreas remanescentes da Mata Atlântica. Esta espécie é facilmente reconhecida por apresentar quatro estigmas e estiletos, diferente de outras espécies do gênero *Passiflora* na qual é comum apresentarem três destas estruturas. Alguns taxonomistas morfológicos separam esta espécie em duas, mas não existe consenso sobre isto. O objetivo deste trabalho é avaliar a variabilidade populacional de *P. ovalis* através de marcadores moleculares e colaborar na elucidação taxonômica deste grupo. Para as análises laboratoriais, foram coletadas folhas de 196 plantas distribuídas em 11 populações localizadas nos estados da Bahia, Espírito Santo, São Paulo e Rio de Janeiro. O DNA foi extraído usando CTAB e a amplificação por PCR foi feita com iniciadores universais para o espaçador intergênico plastidial trnS-trnG e os espaçadores internos transcritos do DNA ribossomal nuclear (ITS). O seqüenciamento foi realizado em equipamento automático MegaBace1000. As seqüências foram alinhadas pelo programa ClustalX e corrigidas manualmente. Em sete populações da Bahia e duas do Espírito Santo (totalizando 56 indivíduos) foram encontrados quatro haplótipos para as seqüências plastidiais. Nos indivíduos de quatro populações da Bahia foram encontrados dois sítios de inserção/deleção e oito substituições de ponto, sendo cinco destes heterozigotos nas seqüências de ITS, resultando em nove tipos de seqüência. Quando comparada com outras espécies do gênero *Passiflora*, o grau de variabilidade genética apresentado por esta espécie é baixo e a análise destes marcadores, até o momento, não indica estruturação populacional para esta espécie.