

453

**PARTICIPAÇÃO DOS GENES *CNEMDRI* E *CNAFRI* DE *CRYPTOCOCCUS NEOFORMANS* VAR. *GATTII* NA RESISTÊNCIA AO ANTIFÚNGICO FLUCONAZOL.** *Livia Kmetzsch Rosa e Silva, Augusto Schrank, Marilene Henning Vainstein (orient.) (UFRGS).*

*Cryptococcus neoformans* é uma levedura encapsulada, agente etiológico da criptococose. A incidência de infecções causadas por fungos oportunistas tem aumentado drasticamente. Indivíduos imunocomprometidos portadores do vírus HIV são bastante suscetíveis a essas infecções. Drogas antifúngicas são comumente utilizadas no tratamento de criptococose e demais micoses que acometem o homem. Essas drogas possuem mecanismos de ação que perturbam a integridade da membrana da célula fúngica, afetando a biossíntese de esteróis da membrana ou inibindo a função destes esteróis. Entretanto, um obstáculo significativo que impede o sucesso da terapia antifúngica é o mecanismo de resistência a drogas, especialmente contra antimicóticos azólicos. Este mecanismo é mediado pela superexpressão de bombas de extrusão capazes de facilitar o efluxo de drogas citotóxicas levando a diminuição do acúmulo celular da droga. O conhecimento da função das proteínas de transporte de membrana na resistência a drogas em *C. neoformans* permitirá avançar nos estudos de obtenção de novos agentes antifúngicos. Foram desenhados dois pares de *primers* baseados em seqüências de genes envolvidos na resistência a múltiplas drogas em *C. neoformans* var. *grubii* (*CneMDRI*) e em *C. neoformans* var. *neoformans* (*CnAFRI*) e a presença destes genes foi verificada em amostras de *C. neoformans* var. *gattii* de nossa coleção. Os fragmentos amplificados esperados foram encontrados e realizou-se seqüenciamento para confirmação de que os fragmentos amplificados correspondiam aos genes *CnAFRI* e *CneMDRI*. Amostras de *C. neoformans* var. *gattii* foram analisadas quanto à suscetibilidade ao antifúngico fluconazol, sendo verificada a presença de uma amostra resistente. O nível de expressão dos genes envolvidos na resistência a este antifúngico será analisado através de RT-PCR. (Fapergs).