

341

PERFIS DE RESISTÊNCIA A ANTIBIÓTICOS B-LACTÂMICOS EM AEROMONAS. José Ribeiro de Araújo Júnior, Sérgio Echeverrigaray, Ana Paula Longaray Delamare (orient.) (UCS).

Aeromonas são bacilos Gram-negativos, redutores de nitrato e nitrito, fermentadoras de D-glicose, pertencentes à família Aeromonadaceae. As Aeromonas são produtoras de β -lactamases, enzimas que catalisam a hidrólise do anel β -lactâmico, destacando-se as metalo- β -lactamases, serino- β -lactamases, e β -lactamases de efeito expandido (ESBLs). O objetivo deste trabalho foi estudar a base genética e atividade enzimática das β -lactamases em Aeromonas, selecionadas com base no seu perfil de resistência a oito antibióticos β -lactâmicos, através de antibiogramas. A sensibilidade ao ácido clavulânico foi determinada através do teste de comparação de halos de inibição, com quatro antibióticos de referência. As concentrações inibitórias mínimas (CIM) foram determinadas pelo teste de diluições seriadas (0 a 1000mg/L). Os genes de resistência a antibióticos β -lactâmicos foram determinados por PCR utilizando primers específicos. De um total de 62 isolados, foram selecionados quatro (IBAer114, IBAer130, IBAer117 e IBAer107) com base nos seus perfis de resistência. Todas as bactérias apresentaram CIM superior a 1000mg/L de ampicilina. Entretanto, variações foram observadas na CIM para cefoxitina e ceftriaxona entre os isolados, e apenas o isolado IBAer114 apresentou resistência a ceftazidima com CIM de 125 mg/L. Apenas a linhagem IBAer114 apresentou padrão fenotípico compatível com ESBLs. Todas as linhagens apresentaram pelo menos um gene cromossômico de resistência. A linhagem IBAer114 exibiu a presença de dois genes de ESBLs (TEM e CTX), e uma serino- β -Lactamase (AmpC). Os resultados mostram a importância potencial das Aeromonas como organismos mantenedores e de transferência de resistência a antibióticos β -lactâmicos.