

ANÁLISE DA EXPRESSÃO DIFERENCIAL DOS FATORES DE TRANSCRIÇÃO E26 (ETS) EM CÂNCER COLORRETAL. *Candida Deves, Daiana Renck, Eraldo Batista Junior, Bernardo Garicochea, Diogenes Santiago Santos (orient.) (PUCRS).*

As proteínas Ets compreendem uma família de fatores de transcrição que se ligam ao DNA através do domínio E26, ou domínio Ets. Todos os genes Ets contêm uma região de sequência conservada, formada por 84-90 resíduos de aminoácidos. A família dos fatores de transcrição eucarióticos do domínio Ets encontra-se em mais de trinta organismos do Reino Metazoa (Reino Animal), diversificados, de esponjas até humanos. Os fatores Ets agem como reguladores positivos ou negativos da expressão de vários genes que estão envolvidos em diversos processos biológicos em organismos adultos e até mesmo durante o desenvolvimento embrionário, incluindo processos que controlam a proliferação celular, diferenciação, hematopoiese, apoptose, metástase, remodelagem de tecidos, angiogênese, transformação. A desregulação das proteínas do domínio Ets, seja pela expressão inapropriada ou pela expressão com fusão com outras proteínas, mostra-se relevante no desenvolvimento de alguns tipos particulares de câncer. Utilizando a técnica de PCR em tempo real, quantificou-se relativamente a expressão do mRNA dos genes ESE-3, ETV3, ETV4, ETV6 e PDEF em tumores colorretais comparativamente a tecidos normais. Os achados mostraram que a ETV4, um regulador da expressão de metaloproteinases (MMPs), apresentou um aumento significativo no tecido tumoral colorretal quando comparado com amostras de tecido normal. O envolvimento de nódulos linfáticos esteve associado ao aumento de quase duas vezes na expressão da ETV4 comparativamente a tumores sem o envolvimento de nódulos linfáticos. Os resultados aqui apresentando criam perspectivas para futuros estudos com objetivo de desenvolver um modelo molecular preditivo para diagnóstico de tumores malignos, prognóstico da terapia anti-tumoral e sobrevida do paciente.