

041

**DESENVOLVIMENTO E PADRONIZAÇÃO DA REAÇÃO DA POLIMERASE EM CADEIA PARA A IDENTIFICAÇÃO DO GENOMA DO BHV-1 EM SECREÇÕES NASAIS DE BOVINO.**

*Léa Aparecida Bendik Rech Zohler<sup>1,2</sup>, Tatiana Stolnik<sup>1,3</sup>, Paulo Augusto Esteves ; Fernando Rosado Spilki<sup>1,3</sup>; Alessandra D'Ávila da Silva<sup>1,3</sup>; Ana Cláudia Franco<sup>1,3</sup>; Paulo Michel Roehle<sup>1,3</sup>* (1-Lab. Vir. – DM/ ICBS – UFRGS; 2-Fac. Biologia – ULBRA; 3- EVI – CPVDF – FEPAGRO).

O Herpesvírus Bovino tipo 1 (BHV-1), membro da família *Herpesviridae*, causa diversas enfermidades em bovinos, tais como a rinotraqueíte infecciosa bovina (IBR) e a vulvovaginite pustular infecciosa (IPV), além de ser um importante agente de patologias na esfera reprodutiva. O diagnóstico rápido de infecções por BHV-1 é importante para a tomada de medidas de controle adequadas. Com essa finalidade, o presente estudo visa desenvolver e padronizar a técnica de PCR para detecção do vírus diretamente em secreções nasais. Inicialmente foi avaliada a PCR utilizando DNA das amostra padrão do vírus. Posteriormente procedeu-se a padronização de extração de DNA viral a partir de suabes nasais de animais experimentalmente infectados. Observou-se que as extrações de DNA tem apresentados resultados irregulares, dificultando a padronização da prova. Atualmente estão sendo avaliadas estratégias, visando a solução desse problema.