

167

**SELEÇÃO DE MARCADORES DE RAPD PARA *Euphorbia heterophylla*.** Roberta P. Veiga; Larissa M. Winkler, Ribas A. Vidal; Léo D.H.C.S. Conceição, Israel R. Silva, Gustavo C. Hernandez,. (Depart° de Plantas de Lavoura, FAGRO, UFRGS).

*Euphorbia heterophylla* também conhecida como leiteira ou amendoim-bravo, é uma espécie de planta daninha que apresenta variabilidade genética significativa. Somente no RS, cerca de 50 municípios estão infestados por esta espécie, que vem apresentando resistência aos herbicidas inibidores da enzima acetolactatosintase (ALS). Este fenômeno vem causando sérios danos sócio-econômicos ao sistema agrícola do nosso estado. O presente trabalho teve como objetivos, identificar variabilidade genética em uma população de leiteira do RS, a partir da seleção de oligonucleotídeos iniciadores (primers) de RAPD. Para isso, foram testados inicialmente alguns protocolos adaptados para a extração de DNA, retirados da literatura especializada. Por apresentar grande quantidade de látex em suas folhas, testes foram realizados durante a extração, onde utilizou-se um anti-oxidante e diferentes detergentes e precipitadores de proteína e DNA. A quantificação foi feita com um espectrofotômetro, e a relação entre suas absorbâncias permitiu a determinação da qualidade do DNA extraído. Em etapa posterior, foram testados 64 *primers* para detectar polimorfismo genético, a partir da amplificação dos fragmentos de DNA em gel de agarose. Folhas de 20 plantas ao acaso foram utilizadas e agrupadas para a extração. As reações de amplificação do DNA foram feitas contendo o DNA, dNTPmix, *PCR buffer*, enzima Taq-DNA-polimerase, 64 *primers* de seqüências arbitrárias e MgCl<sub>2</sub>. Os produtos da amplificação foram analisados por eletroforese em gel de agarose e visualizados sob luz ultravioleta. Os resultados obtidos mostraram que, dos 64 *primers* utilizados, apenas 12 apresentaram polimorfismo. A continuidade deste trabalho consiste em determinar se a resistência aos herbicidas observada nesta população deve-se a uma única fonte genética de resistência ou a outras fontes, que por cruzamentos e/ou dissiminações promovem o aumento da dispersão destes focos. (CNPq).