

Os herpesvírus bovinos tipos 1 (BoHV-1) e 5 (BoHV-5) são membros da família *Herpesviridae*. O BoHV-1 causa doenças respiratórias e reprodutivas em bovinos. Já o BoHV-5 é responsável pela encefalite herpética bovina, doença com um curso geralmente fatal. Com base em análises genômicas as amostras de BoHV-1 foram subsequentemente divididas em subtipos (BoHV-1.1 e BoHV-1.2). O subtipo 2 foi ainda subdividido em BoHV-1.2a e BoHV-1.2b. Já as amostras de BoHV-5 foram também subdivididas em subtipos a, b e c. A epidemiologia das infecções por BoHV-1 e BoHV-5 se confunde face às similaridades antigênicas entre estes dois vírus e seus subtipos. As semelhanças são tão marcantes que testes sorológicos são incapazes de diferenciar as respostas imunológicas frente a tais infecções e o diagnóstico subtipo-específico requer análises genômicas ainda não completamente exploradas. Este trabalho tem como objetivo caracterizar 150 isolados de herpesvírus bovinos com base na análise de um fragmento de 549 pares de bases do gene *UL27*, o qual codifica a glicoproteína B (gB). A sequência deste gene foi escolhida por apresentar “hot spots” para mutações que apresentam potencial para viabilizar discriminações subtipo-específicas. Uma PCR foi desenvolvida com primers desenhados para a amplificação da região-alvo. As amostras de vírus foram multiplicadas em células CRIB e o DNA extraído com fenol, precipitado com etanol e submetido à amplificação. Os amplicons de tamanho correspondente ao fragmento esperado foram clonados e sequenciados. A análise das sequências permitiu discriminar entre os tipos de vírus (1 e 5) e entre alguns subtipos de BoHV-1 (1.1 e 1.2) e BoHV-5 (a, b e c). No entanto, não foi possível a diferenciação entre os subtipos de BoHV-1 (1.2a e 1.2b) e BoHV-5 (a e c). Até o momento foram sequenciadas 20 amostras, sendo 10 caracterizadas como BoHV-1 subtipo 1.1 e 10 como BoHV-5 (9 “a” ou “c” e 1 “b”). A caracterização molecular destes isolados é importante para o conhecimento das propriedades biológicas dos subtipos relacionados com as diferentes manifestações clínicas provocadas pelas infecções de BoHV-1 e 5.