

280

AValiação da Diversidade Genética de Rebanhos Bovinos Através do Marcador Molecular IDVGA-51. *Lissandra Duarte Carneiro, Juliano Coelho da Silveira, Daniel Thompsen Passos, Tania de Azevedo Weimer (orient.) (ULBRA).*

Marcadores moleculares são variações na sequência de DNA, transmitidas de modo mendeliano simples e passíveis de ser determinadas por técnicas laboratoriais. O genoma dos eucariotos é caracterizado pela presença de grande quantidade de microssatélites ou STRs (Short Tandem Repeats), repetições de 1 a 6 pb distribuídos no genoma. Sabe-se que a distribuição dos microssatélites não é ao acaso e que estão envolvidos com a regulação da transcrição gênica pela formação de DNA-Z, facilitando o acesso de fatores de transcrição. Produzida no tecido adiposo, a leptina está relacionada com a ingesta alimentar e a disponibilidade energética, um pré-requisito para expressão de hormônios como o LH e FSH, ambos envolvidos com o desempenho reprodutivo. Com o propósito de determinar marcadores moleculares que possam auxiliar na avaliação precoce dos indivíduos mais produtivos, é importante primeiramente conhecermos a variabilidade genética dos mesmos. Para tanto foi avaliada a diversidade genética, em dois rebanhos de bovinos de corte totalizando 200 fêmeas, por meio do marcador molecular IDVGA-51, localizado a 3' do gene da leptina. O STR foi investigado por PCR e os produtos de amplificação visualizados em gel de poliacrilamida 10, 5%. Observou-se diferença nas frequências alélicas entre os rebanhos. Nas duas populações, detectaram-se 7 alelos sendo os mais frequentes, em Gado Geral (n=74), *IDVGA-51*177* (0, 30), *IDVGA-51*175* (0, 27). Em Aberdeen (n=126) esses também foram os mais comuns, com os valores mais altos para *IDVGA-51*175* (0, 64), *IDVGA-51*177* (0, 16). Como o rebanho Gado Geral resulta do cruzamento de seis raças é esperado que ele apresente uma maior variabilidade, ao contrário da população Aberdeen, a qual é submetida, constantemente a severas práticas seletivas, o que de fato se observa pela heterozigose esperada de 0, 79 (Gado Geral) e 0, 55 (Aberdeen Angus).