

061

SINAIS DE EXPANSÃO POPULACIONAL EM BOTHROPS ALTERNATUS (SERPENTES, VIPERIDAE): ESTUDO FILOGEOGRÁFICO EM UMA ESPÉCIE DE AMPLA DISTRIBUIÇÃO. Daniel Kieling, Felipe Gobbi Grazziotin, Sandro Luis Bonatto (orient.) (PUCRS).

A variabilidade genética é uma importante ferramenta para compreensão dos padrões filogeográficos e origem das espécies. *Bothrops alternatus* é uma espécie que ocupa diversos habitats e possui uma ampla distribuição geográfica, ocorrendo no Paraguai, Argentina, Uruguai e Brasil. Nosso objetivo é estudar a variabilidade genética dessa espécie ao longo de sua distribuição para compreender os padrões filogeográficos e inferir sua história evolutiva. Obtivemos material biológico de espécimes provenientes do Uruguai e dos estados de MG, GO, MS, SP, SC e RS do Brasil. Extraímos DNA com técnica de precipitação com sal e até o momento sequenciamos parcialmente o gene mitocondrial citocromo b de 56 exemplares. Através da técnica de PCR amplificamos os fragmentos com cerca de 700pb, utilizando primers específicos para serpentes, dos quais 598 pb foram analisados. Após sequenciarmos, editamos e revisamos manualmente as seqüências obtidas com o programa BioEdit e posteriormente alinhamos com o programa ClustalX. Utilizando o programa Mega 3.1 estimamos uma árvore filogenética pelo método de Neighbor-joining usando distâncias geradas por K2p. Análises de parâmetros populacionais como testes de neutralidade e mismatch distribution foram realizadas no programa DNAsp. Do total de sítios, 29% (173 sítios) foram variáveis e apenas 2, 5% foram informativos para parcimônia (15 sítios). Foram identificados 19 haplótipos com uma diversidade haplotípica de 0, 892 e uma diversidade nucleotídica baixa, de 0, 0053. Os testes de neutralidade, não foram significativos. Análise de mismatch distribution resultou em um gráfico bimodal. Os resultados mostram que, apesar de apresentar uma ampla distribuição, *B. alternatus* não possui uma clara estruturação geográfica. Esta baixa diversidade genética associada à falta de estruturação geográfica em uma espécie com ampla distribuição sugere efeitos de expansão populacional recente. Este estudo prossegue com adição de mais amostras e outros loci.