156

ESTUDO DA PREVALÊNCIA DE POLIMORFISMOS GENÉTICOS EM PACIENTES DISLIPIDÊMICOS COM DOENÇA ARTERIAL CORONARIANA. Paulo Fernando Perizzolo, Fernanda Ianes Chula, Millene Borges Coelho, Márcia Suzana Nunes Silva, Maria Lúcia Rossetti,

Moacyr Wajner, Andry Costa, Nadine Claussell, Cláudia Maria Dornelles da Silva (orient.) (ULBRA).

As doenças cardiovasculares representam uma das principais causas de morte nos países desenvolvidos e também nas grandes cidades brasileiras. A doença arterial coronariana (DAC) é uma desordem multifatorial resultado da interação entre fatores genéticos e ambientais. Essa condição surge principalmente devido a alterações metabólicas nos níveis de lipídios e de lipoproteínas circulantes no sangue. Pesquisas em genes envolvidos com o metabolismo de lipídios têm auxiliado no entendimento da suscetibilidade ao desenvolvimento da DAC. Diante do exposto, o presente trabalho de pesquisa tem como objetivo investigar as frequências de polimorfismos nos genes lipase hepática (LIPC), lipase lipoprotéica (LPL), apolipoproteína E (APOE) e enzima transferidora de ésteres do colesterol (CETP) em pacientes com doença arterial coronariana, atendidos no Ambulatório de Dislipidemia do Hospital de Clínicas de Porto Alegre. Dados clínicos, epidemiológicos e bioquímicos estão sendo coletados e serão comparados com dados moleculares. Até o momento, procedeu-se a coleta e a extração de DNA de 100 amostras de sangue. A análise molecular consiste na amplificação dos fragmentos de DNA pela técnica de Reação em Cadeia da Polimerase (PCR). As genotipagens dos genes APOE (polimorfismos e2, e3, e4), CETP (B1/B2), LIPC (-250G/A) e LPL (S447X) foram realizadas utilizando, respectivamente, as seguintes enzimas de restrição: HhaI, TaqI, DraI e MnII. Os resultados obtidos até o momento foram os seguintes: LIPC (38 GG, 12 AA, 41 GA), LPL (27 CC, 04 GG, 5 CG), CETP (23 B1B2, 17 B1B1, 6 B2B2) e APOE (11 e2e4, 02 e3e4). A pesquisa tem como meta analisar 250 amostras. Até o momento, procedeu-se a uma análise muito preliminar entre as variáveis obtidas.