

269

CARACTERIZAÇÃO DE POLIMORFISMOS DE DNA EM GENES RELACIONADOS AO SISTEMA IMUNE EM ÍNDIOS KAINGANG DO SUL DO BRASIL. *Tábita Hünemeier; Mara H. Hutz; José A. B. Chies.* (Laboratório de Imunogenética, Departamento de Genética, Instituto de

Biociências, Universidade Federal do Rio Grande do Sul)

As populações indígenas brasileiras foram inicialmente classificadas de acordo com padrões de linguagem, morfologia e polimorfismos protéicos. Dados da literatura indicam que as frequências alélicas de diferentes sistemas genéticos são significativamente diferentes entre os grupos étnicos. Tendo-se isso em vista, torna-se indispensável o estudo dessa diversidade para que se possa avaliar o quão significantes são essas diferenças e se elas variam dentro de um mesmo grupo étnico de acordo com o ambiente habitado. Esta análise pode auxiliar nos estudos sobre o grau de miscigenação e indicar as rotas migratórias utilizadas por ancestrais, no caso de populações indígenas sul-americanas. Os polimorfismos, analisados por PCR - RFLP, na população de Kaingangs estudada são o CCR5 Δ 32, TCRBV3S1 e TCRBV18, segmentos gênicos ou genes envolvidos no desenvolvimento de resposta imune. Até o presente momento, 70 indivíduos foram tipados para a variante CCR5 Δ 32, sendo 65 homozigotos normais e 05 heterozigotos, sendo a frequência para o alelo normal igual a 0,964 e a frequência para o alelo deletado igual 0,036. Para o TCRBV3S1, 43 indivíduos foram analisados, sendo 21 indivíduos homozigotos para o alelo 01, 07 indivíduos homozigotos para o alelo 02 e 15 indivíduos heterozigotos, sendo as frequências iguais a 0,663 para o alelo 01 e 0,337 para o alelo 02, e para o TCRBV18, foram analisados 71 indivíduos, sendo 52 homozigotos para o alelo 01, 03 homozigotos para o alelo 02 e 16 heterozigotos, as frequências encontradas foram, 0,845 para o alelo 01 e 0,155 para o alelo 02. A análise destes dados indica existência de miscigenação entre a população Kaingang analisada e indivíduos caucasóides, evidenciada pela presença do alelo CCR5 Δ 32 (típico de populações caucasóides). (PRONEX, FINEP, CNPq, Fapergs)