

Sessão 16
Genética Vegetal - Variabilidade Genética e Evolução

161

DIFERENCIAÇÃO MOLECULAR ENTRE INDIVÍDUOS DIPLÓIDES E HEXAPLÓIDES DO MARACUJÁ *PASSIFLORA MISERA* (PASSIFLORACEAE). *Dânae Longo, Francisco M. Salzano, Loreta B. Freitas* (Lab. De Evolução Molecular, Departamento de Genética, IBC-UFRGS)

A poliploidia é um evento de grande importância evolutiva para a especiação de plantas. Indivíduos poliploides, com um conjunto cromossômico acima do número diplóide ($2x$) característico, podem surgir naturalmente dentro de uma espécie. A ocorrência de mudanças genéticas subsequentes poderia gerar uma nova espécie a partir de uma população poliplóide isolada. Um modelo interessante para o estudo desse processo é *Passiflora misera*, uma espécie de maracujá com ampla distribuição no Brasil e que exibe duas formas cromossômicas distintas ocorrendo em regiões geograficamente separadas: a forma diplóide ($2n=12$) ocorre na região sul, enquanto a hexaplóide ($2n=36$) ocorre a partir do RJ em direção ao nordeste. Apesar da diferença cromossômica, esses dois citótipos são morfológicamente idênticos. Neste trabalho, marcadores moleculares de microssatélites de cloroplasto (ccmp) foram usados, inicialmente, para detectar as diferenças genômicas entre essas duas formas cromossômicas e auxiliar no estudo dos aspectos evolutivos relacionados à sua separação geográfica e possível processo de especiação. Para a técnica, o DNA obtido de 35 indivíduos de *P. misera* diplóides do RS e 14 hexaplóides de PE e RJ foi amplificado com 10 pares de primers ccmp universais para angiospermas dicotiledôneas através de reação de PCR em termociclador. Os produtos de PCR foram analisados em gel de poliacrilamida. A análise dos padrões de bandas mostrou que os indivíduos diplóides se diferenciaram claramente dos hexaplóides. No entanto, esse marcador vem se mostrando ineficiente para detectar variação intrapopulacional dentro de Passifloraceae. Dados adicionais a partir de marcadores nucleares (ITS e RAPD) e cloroplasmáticos (trnf-trnl) estão sendo obtidos para completar as análises (PRONEX, FINEP, CNPq/PIBIC, Fapergs, PROPESQ)