

122

TRANSFERÊNCIA PARA SOJA DE UM GENE QUE CODIFICA UMA QUITINASE DE *METARHIZIUM ANISOPLIAE*, VISANDO A RESISTÊNCIA A MOLÉSTIAS FÚNGICAS.*Raquel Sachet, Giancarlo Pasquali, Maria Helena B. Zanettini* (Departamento de Genética – Instituto de Biociências – UFRGS)

Estamos desenvolvendo um teste de co-transformação via biolística com o objetivo de introduzir em soja um gene que codifica uma quitinase, isolado do fungo *Metarhizium anisopliae*, visando a resistência a moléstias fúngicas. Foram bombardeadas doze placas contendo conjuntos de embriões somáticos da cultivar Conquista. Realizamos dois preparos de DNA contendo cada um 5µl de DNA a 1µg/µl de cada plasmídeo. Cada preparo foi suficiente para realizar seis disparos de partículas, um por placa, contra os embriões somáticos. Foram utilizados concomitantemente os plasmídios: *pGusHyg*, que contem o gene repórter GUS e o gene de resistência à higromicina, e o *pMOG463chit1* que contem o gene que codifica a quitinase. Para verificação da eficácia da transformação realizamos o teste histoquímico de GUS, quatro dias após o bombardeio. Na contagem dos pontos azuis que indicam a expressão transitória do gene *gusA*, verificou-se que os primeiros disparos de cada preparo apresentavam uma maior eficácia. Os conjuntos embriogênicos não utilizados para o teste de Gus, foram transferidos para meio seletivo contendo higromicina, visando a obtenção de material estavelmente transformado. Foram obtidos 52 pontos de crescimento (clones) resistentes à higromicina, os quais foram transferidos, na seqüência, para meio de proliferação D-20 (sem higromicina), meio de maturação e meio de regeneração. As plantas eventualmente regeneradas serão submetidas a testes moleculares para a confirmação da presença e expressão do gene *gus*, bem como para verificar a eventual co-transformação, pela presença do gene *chit 1*. (Fapergs, CNPq)