

261

VARIABILIDADE GENÉTICA DE LINHAGENS DE ECHINOCOCCUS GRANULOSUS, CARACTERIZADA ATRAVÉS DO MÉTODO PCR-SSCP DE SEQUÊNCIAS NUCLEARES E MITOCONDRIAIS. Cristian Derois Santos¹, Laura Kamenetzky², Mara Cecília Rosenzvit², Karen Luisa Haag¹, Arnaldo Zaha¹ (¹Departamentos de Genética e Biotecnologia, UFRGS e ²Laboratório de Parasitologia, Instituto Malbrán, Buenos Aires).

Echinococcus granulosus é um endoparasito cestóide de ciclo de vida indireto, que apresenta alta especificidade quanto a hospedeiros definitivos (canídeos) e baixa especificidade aos hospedeiros intermediários (diversas espécies de vertebrados herbívoros). A baixa especificidade na fase larval permitiu a diferenciação genética da espécie, que pode ser vista como um conjunto de variantes de grau taxonômico incerto, designadas informalmente como linhagens. Cada linhagem corresponde a um ciclo de vida envolvendo determinada espécie de hospedeiro intermediário principal, como a bovina, a ovina, a eqüina, e assim por diante. O presente estudo tem caracterizado geneticamente isolados de *E. granulosus*. A caracterização genética dos isolados é feita através de amplificação por PCR de segmentos do gene nuclear da malato desidrogenase citosólica e parte do gene mitocondrial citocromo oxidase 1. Após a PCR, as diferenças nas sequências de nucleotídeos dos produtos de amplificação são identificadas através de SSCP (polimorfismo de conformação da fita simples de DNA). Foram amplificados por PCR 112 isolados provenientes da África, Argentina, Brasil, Chile e Uruguai. Destes, até o momento, foram identificados os genótipos para a malato desidrogenase citosólica de 51 isolados através de SSCP.