214

CONTRIBUIÇÃO AO ESTUDO DOS ELEMENTOS TRANSPONÍVEIS EM POPULAÇÕES DE *Drosophila willistoni*. *Adriana K. Sassi*, *Cláudia Rohde*, *Fabiana Herédia e Vera Lúcia S. Valente*. (Departamento de Genética, Instituto de Biociências, UFRGS).

Elementos transponíveis (TEs) são seqüências de DNA capazes de mudar sua localização cromossômica no genoma de seus hospedeiros. Devido a sua capacidade replicativa os TEs representam uma grande fonte de instabilidade genômica. Dentro do gênero *Drosophila*, tem sido descrito o padrão de distribuição de diversos elementos transponíveis para diferentes espécies. A análise de TEs a partir do DNA genômico de diferentes populações naturais, clivado com diferentes enzimas de restrição (técnica de *Southern blot*), permite não só detectar a presença de cada família de TE, mas também estimar seu número de cópias e sua variação interpopulacional. Diversas populações de *D. willistoni*, oriundas de regiões distintas da distribuição geográfica da espécie (que vai da Flórida/EUA até o Uruguai) estão sendo caracterizadas quanto a três diferentes elementos transponíveis: *P, hobo* e *gypsy*. Os resultados demonstram que tanto para o elemento *gypsy* quanto para *P* existe muito pouca variação entre as populações quanto aos fragmentos gerados, e ambos elementos estão presentes com cópias completas e deletadas. Quanto ao elemento *P*, existe variação do número de cópias entre as populações (3 a 6) estimadas através da análise do número de fragmentos gerados com a enzima *XhoI*. *Hobo* apresentou uma homologia muito baixa com a sonda utilizada, tendo sido gerados diversos fragmentos de alto peso molecular após clivagem com *XhoI*. Este padrão sugere a presença de seqüências relíquias de *Hobo* no genoma de *D. willistoni*. (CNPq, FINEP, FAPERGS e PROPESQ-UFRGS).