

064

IDENTIFICAÇÃO DO PADRÃO MOLECULAR DE GENÓTIPOS DE AVEIA (AVENA SATIVA L.).
Roberto L. Weiler, Luís M. Tisian, Sandra C. K. Milach (Faculdade de Agronomia, Departamento de Plantas de Lavoura, UFRGS).

A tecnologia de marcadores moleculares possibilita a caracterização genética de um número considerável de genótipos a nível de DNA, o que é de grande importância no aceso da variabilidade genética existente em programas de melhoramento das espécies de interesse. O objetivo deste projeto é de identificar o padrão molecular de genótipos de aveia cultivados no sul do Brasil com o uso de marcadores do tipo RAPD. Cinco genótipos foram escolhidos para a identificação de marcadores polimórficos para serem utilizados na caracterização dos 35 genótipos do banco de DNA já extraídos, representativos das variedades cultivadas na região sul. A extração foi feita com tampão de SDS e as reações de PCR utilizaram 0,8mM de dNTP, tampão 1X, 5ng de oligonucleotídeo iniciador (“primer”), uma unidade de TaqPolimerase e 20ng de DNA de aveia, com 36 ciclos de amplificação. As reações foram aplicadas em gel de agarose 1,4% e submetidos a 100V por quatro horas. As imagens dos géis foram capturadas e analisadas pelo sistema Kodak Digital Science. Dos 27 “primers” analisados, um (3,7%) não amplificou, 10 (37%) amplificaram mas não revelaram polimorfismo e 16 (59,3%) apresentaram-se polimórficos. Estes amplificaram um total de 42 locos, o que resultou em uma média 2,6 locos polimórficos por “primer”. O padrão molecular dos 35 genótipos deste estudo está sendo determinado para esses locos polimórficos (CNPq).