

279

**CARACTERIZAÇÃO DAS VARIANTES GÊNICAS QUE CODIFICAM PARA O ANTÍGENO B DE ECHINOCOCCUS GRANULOSUS.** Ana Cristina Arend, Gustavo Chemale, Karen Luisa Haag e Arnaldo Zaha (Departamento de Genética, Instituto de Biociência – UFRGS)

*Echinococcus granulosus* é um parasito cestóide causador da hidatidose. O estudo desse parasito é importante, uma vez que a hidatidose é uma doença endêmica no sul da América do Sul, região que abrange nosso Estado. Estudos anteriores demonstraram que o antígeno B é um dos principais componentes antigênicos do líquido hidático, na fase de metacestóide. Esse antígeno é um polímero formado por proteínas derivadas de dois genes distintos: EgAgB8/1 e EgAgB8/2. No entanto, havia indicações de que um número maior de cópias poderiam estar presentes no genoma. A presente pesquisa visou a identificação e o seqüenciamento de variantes dos genes que codificam o antígeno B de *Echinococcus granulosus*. As variantes do antígeno B foram obtidas através de PCR (Polimerase Chain Reaction) a partir do DNA genômico isolado de protoescólices de um único cisto, com a enzima Pwo (Boehringer), que tem a atividade de exonuclease 3'-5'. Os produtos obtidos foram clonados no vetor pMOS "blunt-ended" (Amersham) e posteriormente foi feita uma seleção por SSCP (Single Strand Conformation Polimorphism) seguida de seqüenciamento. Através da pesquisa foram encontradas, até o momento, quatro seqüências distintas para o antígeno B1 e três variantes para o antígeno B2, o que nos levou a sugerir que as mesmas constituem uma família gênica.