

077

**ANÁLISE POR *Southern blot* DOS ELEMENTOS *P* E *gypsy* EM POPULAÇÕES DE *Drosophila willistoni*.**  
Adriana K. Sassi, Cláudia Rohde, Fabiana Herédia, Vera Lúcia S. Valente (Departamento de Genética, Instituto de Biociências, UFRGS).

Elementos transponíveis são segmentos de DNA com capacidade de movimentar-se no genoma de seus hospedeiros. É sabido sua representatividade e sua ubiquidade no genoma dos mais diferentes organismos, assim como seu papel gerador de variabilidade genética. *Drosophila willistoni* é uma espécie neotropical que apresenta um complexo polimorfismo cromossômico. O estudo da variação molecular de elementos transponíveis e a estimativa do número de cópias destes no genoma de diferentes populações são importantes para melhor compreender a plasticidade genômica desta espécie. Para tal abordagem, está sendo utilizada a técnica de *Southern blot*, com detecção não radioativa, e sonda de elemento *P* e *gypsy* de *D. melanogaster*. O DNA genômico de 12 populações de *D. willistoni* está sendo clivado com duas enzimas, uma que reconhece seqüências flanqueadoras do elemento (o que permite a investigação da integridade do mesmo), e outra que não cliva dentro do elemento (o que permite estimar seu número de cópias). Até o momento, 6 populações de *D. willistoni* foram processadas com a enzima *XhoI*, que cliva nas extremidades do elemento *gypsy* (de *D. melanogaster*) e não apresenta sítio de restrição no elemento *P* de *D. willistoni* (homólogo ao *P* de *D. melanogaster*, exceto pela mudança de um nucleotídeo). O resultado confirma a forte homologia entre a sonda *P* e os fragmentos genômicos gerados. O padrão de bandas obtido nas populações variou de 5 a 12 bandas, com 5 menores do que o tamanho do elemento *P* completo (2,9 kb), sendo provavelmente cópias deletadas. Quanto ao elemento *gypsy*, estas mesmas populações possuem o fragmento completo esperado, além de outros menores, com padrão conservado entre as diferentes populações. Isto parece indicar uma conservação deste elemento ao longo da diversificação destas populações (CNPq, FINEP, FAPERGS e PROPESQ-UFRGS).