

121

CARACTERIZAÇÃO DE LINHAGENS DO ENTOMOPATÓGENO *Metarhizium anisopliae* INFECTADOS COM MICOVÍRUS DE dsRNA POR RAPD E PURIFICAÇÃO DOS dsRNAs PARA UTILIZAÇÃO COMO VETORES DE TRANSFORMAÇÃO.

Rafael G. Silva¹, Marilene H. Vainstein^{1,2}, Augusto Schrank¹ (1Dept° Biologia Molecular e Biotecnologia, Centro de Biotecnologia, UFRGS; 2Dept° de Microbiologia, ICBS, UFRGS).

O fungo entomopatogênico *Metarhizium anisopliae* está sendo utilizado atualmente no Brasil para controle biológico de insetos praga na agricultura. Algumas linhagens deste fungo apresentam uma perda ou diminuição na capacidade de infecção. Acredita-se que a presença de micovírus de dsRNA possa influenciar de alguma maneira esta característica, alterando assim a virulência do Deuteromiceto. Para confirmar esta hipótese, iniciamos nosso trabalho extraindo ácidos nucléicos totais da linhagem RJc de *M. anisopliae*, infectada por micovírus. A natureza destes ácidos nucléicos foi confirmada mediante digestão com nucleases (DNase I, RNase A e S1 nuclease). O RNA dupla-fita, alvo de nosso estudo, foi recentemente purificado através de cromatografia em celulose CF-11. Concluída essa etapa (obtenção de dsRNA purificado), pretendemos introduzir o dsRNA, através de biobalística, em outras linhagens de *Metarhizium*, infectadas ou não, por micovírus. Iniciamos simultaneamente uma análise por RAPD de todas as linhagens de *M. anisopliae* do laboratório. Resultados preliminares confirmam a grande variabilidade genética deste fungo com a individualização destas linhagens a partir dos produtos de amplificação obtidos. (FAPERGS; CNPq-PIBIC; PADCT).